PATENT Attorney Docket No.: 58777.000012

V	THE UNITED	STATES	PATENT	AND	TRADEN	<b>MARK</b>	<b>OFFICE</b>

In re App	olication of:	)			
Fumiyuki HATTORI et al.			Group Art U	Jnit:	To Be Assigned
Application	on Number: 10/642,272	)	Examiner:	То В	e Assigned
Filed:	August 18, 2003	)			
For:	THERAPEUTIC METHODS AND A DECREASED EXPRESSION OF AG				

# TRANSMITTAL LETTER

# **Mail Stop Patent Application**

Commissioner for Patents P.O. Box 1450 Alexandria, Virginia 22313-1450

Sir:

The following are enclosed for consideration in the above-identified application:

	FEE
[ ] Response to Notice to File Missing Parts accompanied by a cop- original Notice	y of the \$
[ ] Statutory basic filing fee	\$
[ ] Declaration: [ ]Original; [ ] Supplemental [ ] Surcharge On	ly \$
[ ] Submission of Sequence Listing and computer readable form of	the same \$
[ ] Substitute Drawings: [ ] Sheets (Figs. )	\$
[ ] Information Disclosure Statement, Form PTO-1449, copy of Fr International Search Reports, and 6 references [ ]	ench and \$
[ ] Amendment: [ ] Preliminary; [ ] § 116; [ ] § 312; [ ] Othe	r \$
[ ] Request for Extension of Time ()	\$
[ ] Issue Fee: [ ] Part B - Issue Fee Transmittal [ ] Part C - Char Account	ge to Deposit \$ .
Notice of Appeal	\$
Assignment along with PTO-1595 (separate check)	\$
[ ] Request for Corrected Official Filing Receipt along with a copy filing receipt indicating changes in red	of the original \$
[ ] Reply Brief	\$
[X] Submission of Priority Document: Japanese Patent Applica 41003/2001, filed on February 16, 2001	tion No. \$
Other: Change of Address For Future Correspondence	\$
[ ] An additional claim fee is required, and is calculated as shown be	elow \$
TOTAL FEES BEING SUBMITTED	\$

	Claims	Claims Paid	Extra	Rate	Fee
	Remaining	For			
Total Claims		20		x \$18.00	\$
Independent		3		x \$86.00	\$
Claims					
Multiple Depen	Sultiple Dependent Claims (if applicable) \$290.00				
TOTAL EXCESS CLAIMS FEE					\$
SMALL ENTITY TOTAL (if applicable)					\$

The Commissioner is hereby authorized to charge payment of any additional filing fees required under 37 CFR § 1.16 and § 1.17 associated with this communication or credit any overpayment to the deposit account of Hunton & Williams, Deposit Account Number 50-0206.

Respectfully submitted,

Date: 19 December 2003

By:

Robert M. Schulman

Registration No. 31,196

Jeffrey T. Perez

Registration No. 52,110

HUNTON & WILLIAMS LLP Intellectual Property Department 1900 K Street, N.W., Suite 1200 Washington, DC 20006-1109 (202) 955-1500 (telephone) (202) 778-2201 (facsimile)

RMS/JTP/cbt

PATENT ATTORNEY DOCKET: 58777.000012

DEC 1 9 2003

### ADENIA THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

In re Application of:	)
Fumiyuki HATTORI et al.	) Group Art Unit: To Be Assigned
Application Number: 10/642,272	) Examiner: To Be Assigned
Filed: August 18, 2003	)
	)

DECREASED EXPRESSION OF AOP-1 GENE OR AOP-1

For: THERAPEUTIC METHODS AND AGENTS FOR DISEASES ASSOCIATED WITH

#### **SUBMISSION OF PRIORITY DOCUMENT**

### **Mail Stop Patent Application**

Commissioner for Patents P.O. Box 1450 Alexandria, Virginia 22313-1450

Sir:

Applicant is enclosing a certified copy of Japanese Patent Application No. 41003/2001, filed in Japan on February 16, 2001. This document provides a basis for Applicant's claim for priority.

No fee is believed due as a result of this submission. However, if a fee is due upon the filing of this priority document, please charge the undersigned's Deposit Account No. 50-0206.

By:

Respectfully submitted,

e: 19 December 2005

Robert M. Schulman

Registration No. 31,196 Jeffrey T. Perez

Registration No. 52,110

HUNTON & WILLIAMS LLP Intellectual Property Department 1900 K Street, N.W., Suite 1200 Washington, DC 20006-1109 (202) 955-1500 (telephone) (202) 778-2201 (facsimile)

RMS/JTP/cbt

# 日本国特許庁 JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日 Date of Application:

2001年 2月16日

出 願 番 号 Application Number:

特願2001-041003

[ST. 10/C]:

[ J P 2 0 0 1 - 0 4 1 0 0 3 ]

出 願 人

Applicant(s):

サントリー株式会社

株式会社第一サントリー生物医学研究所

Ö

特許庁長官 Commissioner, Japan Patent Office 2003年12月 1日





ページ: 1/

【書類名】 特許願

【整理番号】 010361

【提出日】 平成13年 2月16日

【あて先】 特許庁長官 殿

【国際特許分類】 A61K

【発明者】

【住所又は居所】 大阪府三島郡島本町若山台1丁目1番1号 株式会社サ

ントリー生物医学研究所内

【氏名】 服部 文幸

【発明者】

【住所又は居所】 大阪府三島郡島本町若山台1丁目1番1号 株式会社サ

ントリー生物医学研究所内

【氏名】 杉村 恵二郎

【発明者】

【住所又は居所】 大阪府三島郡島本町若山台1丁目1番1号 株式会社サ

ントリー生物医学研究所内

【氏名】 古谷 真優美

【特許出願人】

【識別番号】 000001904

【氏名又は名称】 サントリー株式会社

【特許出願人】

【識別番号】 500422182

【氏名又は名称】 株式会社サントリー生物医学研究所

# 【代理人】

【識別番号】 100089705

【住所又は居所】 東京都千代田区大手町二丁目2番1号 新大手町ビル2

06区 ユアサハラ法律特許事務所

【弁理士】

【氏名又は名称】 社本 一夫

【電話番号】

03-3270-6641

【選任した代理人】

【識別番号】 100071124

【弁理士】

【氏名又は名称】 今井 庄亮

【選任した代理人】

【識別番号】 100076691

【弁理士】

【氏名又は名称】 増井 忠弐

【選任した代理人】

【識別番号】 100075270

【弁理士】

【氏名又は名称】 小林 泰

【選任した代理人】

【識別番号】 100096013

【弁理士】

【氏名又は名称】 富田 博行

【選任した代理人】

【識別番号】 100091638

【弁理士】

【氏名又は名称】 江尻 ひろ子

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 051806

【納付金額】

21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】

明細書 1

【物件名】

図面 1

【物件名】

要約書 1

【包括委任状番号】 9706781

【プルーフの要否】

要

# 【書類名】 明細書

【発明の名称】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の治療方法及び当該疾患治療薬

### 【特許請求の範囲】

【請求項1】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の予防又は治療方法において、(1)AOP-1をコードする核酸、若しくはAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を導入すること、又は(2)AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質を投与すること、からなる当該予防又は治療方法。

【請求項2】 AOP-1をコードする核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を患部組織の細胞に導入することからなる請求項1記載の予防又は治療方法。

【請求項3】 AOP-1遺伝子の発現を増強する物質を投与することからなる 請求項1記載の予防又は治療方法。

【請求項4】 AOP-1の産生を増強する物質を投与することからなる請求項1記載の予防又は治療方法。

【請求項 5】 AOP-1の産生を増強する作用を有する物質が、AOP-1をコードする核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸である請求項 4 記載の予防又は治療方法。

【請求項6】 AOP-1の機能を増強する物質を投与することからなる請求項1記載の予防又は治療方法。

【請求項7】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である請求項1乃至6記載の予防又は治療方法。

【請求項8】 (1) AOP-1をコードする核酸若しくはAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプ

チドをコードする核酸、又は(2)AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質、を有効成分として含有するAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の予防薬又は治療薬。

【請求項9】 AOP-1をコードする核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を有効成分として含有する請求項8記載の予防薬又は治療薬。

【請求項10】 AOP-1遺伝子の発現を増強する物質を有効成分として含有する請求項8記載の予防薬又は治療薬。

【請求項11】 AOP-1の産生を増強する物質を有効成分として含有する請求項8記載の予防薬又は治療薬。

【請求項12】 AOP-1の産生を増強する作用を有する物質が、AOP-1をコードする核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸である請求項11記載の予防薬又は治療薬。

【請求項13】 AOP-1の機能を増強する物質を有効成分として含有する請求項8記載の予防薬又は治療薬。

【請求項14】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である請求項8乃至13記載の予防薬又は治療薬。

【請求項15】 AOP-1遺伝子の発現量又はAOP-1の産生量を測定し、当該発現量又は産生量を指標として診断することからなるAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の診断方法。

【請求項16】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である請求項15記載の診断方法。

【請求項17】 AOP-1遺伝子の発現量又はAOP-1の産生量を指標として測定する手段を含むAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の診断剤又は診断キット。

【請求項18】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不

全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である請求項17記載の診断剤 又は診断キット。

【請求項19】 AOP-1の産生を抑制、AOP-1遺伝子の発現を抑制又はAOP-1遺伝子を欠失することによりAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の疾患モデルとして使用できる非ヒト形質転換動物。

【請求項20】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である請求項19記載の非ヒト形質転換動物。

【請求項21】 AOP-1の産生を抑制、AOP-1遺伝子を発現抑制又はAOP-1遺伝子を欠失することによりAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の組織モデル又は細胞モデルとして使用できる形質転換組織又は形質転換細胞。

【請求項22】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である請求項20記載の形質転換組織又は形質転換細胞。

【請求項23】 請求項18乃至21記載の非ヒト形質転換動物、形質転換組織又は形質転換細胞に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を投与又は添加し、AOP-1遺伝子の発現量またはAOP-1の産生量を検出することを含む、AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質及びAOP-1の機能を増強する物質からなる群から選ばれる少なくとも1つをスクリーニングする方法。

【請求項24】 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を、(1)AOP-1遺伝子の転写制御領域及びAOP-1遺伝子若しくはレポーター遺伝子を有する形質転換細胞又は試験管内発現系と接触させ、AOP-1遺伝子又はレポーター遺伝子の発現量を検出するこお、又は(2)AOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、AOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、AOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出すること、を含むAOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質及びAOP-1の機能を増強する物質からなる群から選ばれる少なくとも1つをスクリーニングする方法。

【請求項25】 AOP-1遺伝子の転写制御領域をレポーター遺伝子の翻訳領

域の上流又は下流に連結した発現ベクターを構築後、適当な宿主細胞に導入して 培養し、当該培養細胞に合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天 然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を添加し、一定時間後にレポーター 遺伝子の発現量又はレポータータンパク質の産生量の変化を検出することを含む 請求項24記載のスクリーニング方法。

【請求項26】 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質をAOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、当該物質と結合した又は結合しなかったAOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出することを含む請求項24記載のスクリーニング方法。

【請求項27】 AOP-1又はAOP-1の標的分子を支持体に固定化し、当該固定化したAOP-1又はAOP-1の標的分子に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質とAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、結合した又は結合しなかったAOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出することを含む請求項24記載のスクリーニング方法。

【請求項28】 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を支持体に固定化し、当該固定化した物質にAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、結合した又は結合しなかったAOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出することを含む請求項24記載のスクリーニング方法。

【請求項29】 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を、AOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去機能を測定することを含むAOP-1の機能を増強する物質のスクリーニング方法。

【請求項30】 AOP-1又はAOP-1の標的分子に、合成若しくは遺伝子組換え 技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質とAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去能を測定 することを含む請求項29記載のスクリーニング方法。

【請求項31】 AOP-1又はAOP-1の標的分子を支持体に固定化し、当該固定化したAOP-1又はAOP-1の標的分子に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得ら

れた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質とAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去機能を測定することを含む請求項29記載のスクリーニング方法。

【請求項32】 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を支持体に固定化し、当該固定化した物質にAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去機能を測定することを含む請求項29記載のスクリーニング方法。

# 【発明の詳細な説明】

[0001]

# 【発明の属する技術分野】

本発明は、本発明は、疾患の予防方法、治療方法又は診断方法、疾患の予防薬 又は治療薬、製剤の有効成分に係る物質のスクリーニング方法、非ヒト形質転換 動物、及び形質転換組織等に関する。

[00002]

# 【従来の技術】

多くの重篤疾患においては、病態の進展に伴い、組織中における細胞機能低下さらには細胞死が起こることはよく知られており、この細胞脱落により、疾患の治癒はより困難となり、予後の不良、再発を招くこととなる。特に心臓をはじめ、脳、腎臓等、自己再生不能臓器における疾患治療には細胞の壊死脱落を抑制することが重要な治療方針である。

(1)慢性心不全は、心筋収縮力の低下により心臓が各臓器へ十分量の血液を拍出できない状態と定義される。心不全に至る前段階として、心臓は全身の血行を正常に保つ目的で代償的リモデリングを行う。この時期には、心筋細胞が持続的に肥大伸展化し、心拍出圧を高く保つと同時に心拍出量を維持するが、同時に心組織内の線維化が進行し、収縮細胞に対する負荷が増加する。心筋細胞に対する負荷と、肥大化による代償とのバランスが限界を迎えた時、心機能が破綻し心不全となる。心不全状態の心筋細胞では、収縮力が低下することが知られている(Am J Physiol 1997 Jul;273(1 Pt 2):H183-91)。これまでの慢性心不全治療では心不全状態つまり患者が正常な日常生活に支障をきたした時点から、心筋収縮力

を増加させるジギタリス製剤やキサンチン製剤等の強心剤が使用された。しかし、これらの薬剤は心筋エネルギーの過剰消費により、長期投与においては細胞死を促進させ、生存率を悪化させることが明らかにされた。最近では、代償リモデリング期で亢進している交感神経系やレニンアンジオテンシン系による心臓への過剰な負荷を軽減させるβ遮断剤やACE阻害剤による治療が主流になってきている。しかし、心筋細胞の肥大化の防止を作用メカニズムに持つこれらの薬剤は、すでに心不全状態に陥った患者の治療には有効とは言えず、慢性心不全の予防剤的側面が強い。また、これら薬剤の発売後も依然として慢性心不全患者の長期生存率が改善されない事実は、これら薬剤の作用メカニズムの限界を示唆している。よって、代償期破綻後、慢性心不全期におけるQuality of life、生存率両面の改善をもたらす、新たな慢性心不全治療薬の開発が急務である。代償期から不全期への移行に伴い起こる破綻機構の本質的原因である、細胞死、細胞機能低下を治療する新たな治療薬の開発が望まれる。

(2)神経変性疾患は、神経細胞の変性を特徴とする一群の疾患であり、具体的 には脳梗塞、アルツハイマー病、パーキンソン病、ハンチントン舞踏病、脳血管 性痴呆、ビンスワンガー病等の白質傷害等が挙げられる。中でも、脳梗塞、脳血 管性痴呆では、脳血流の不足による神経細胞死が発生する。アルツハイマー病で は、脳内における不溶性βアミロイド、タウ蛋白質の生成沈着による老人斑、神 経原線維変化の生成が特徴的であり、これに伴う神経細胞死が認められるが、そ の病因は多岐にわたると考えられ、未だに十分には解明されてはいない。脳梗塞 、脳血管性痴呆、アルツハイマーで共通する現象として、神経伝達物質として機 能しているグルタミン酸の過剰な細胞外分泌がある(Eur J Neurosci 2000 Aug;1 2(8): 2735-45, Brain Res 1994 Apr 11;642(1-2):117-22)。この過剰なグルタ ミン酸は神経細胞表面のGlutamate receptor (NMDA受容体)を刺激し、神経の 過剰興奮を誘導する。この過剰な神経興奮により細胞内イオン環境の破綻が誘導 され、細胞死が起こるとする説が有力である。現在脳梗塞治療剤としては、抗血 小板薬、血栓溶解剤が用いられているが、血流の再開、維持を目的としたもので あり、神経細胞自体に対する保護作用を有する治療方法は未だ確立されていない 。試験段階の治療薬として、NMDA受容体拮抗薬、グルタミン酸放出抑制剤、活性 酸素消去剤が開発中であるが、有効性の確認は未だされていない。アルツハイマー病の治療に関しては、最近コリンエステラーゼ阻害剤が唯一治療剤として認められたが、細胞間情報伝達を増強することによる学習機能改善がメカニズムであり、神経細胞死を直接抑制するものではない。一連の神経変性疾患に対する有効な治療方法として、神経細胞保護を作用機序とする治療薬の開発が望まれている。

- (3)慢性関節リウマチは、関節滑膜の連続的増殖を特徴とする慢性的関節炎であり、その原因は自己免疫作用に基づくと言われる。老化、遺伝的素因に加え、生活環境的因子が複合的に危険因子を形成し、感染症を初めとする何らかの関節炎症を発端として、自己抗原に対する免疫感作が生じると考えられている。進行した慢性関節リウマチでは、軟骨破壊、骨破壊と同時に、軟骨芽細胞死、骨芽細胞死が報告されている(Arthritis Rheum 1999 Jul;42(7):1528-37, Z Rheumato 1 2000;59 Suppl 1:10-20)。軟骨芽細胞、骨芽細胞の死によって疾患は不可逆的な段階に入るものと考えられる。現在は、ステロイド、非ステロイド製剤による、免疫抑制作用を基とする治療が行われるが、その治療効果は持続的でなく、根治的でない。そこで、関節、骨芽細胞、軟骨芽細胞保護をメカニズムとする新しい治療剤の開発が望まれている。
- (4)慢性腎不全は、腎臓内の糸球体、尿細管の傷害を特徴とする疾患であり、 具体的には、糖尿病性腎症、高血圧性腎症、ループス腎症等が挙げられる。血液 中の老廃物をろ過する機能を有する糸球体と、尿からの再吸収をその機能とする 尿細管における機能異常が発生する原因として、高血糖による糖化蛋白による細 胞傷害、高血圧による血行不良による細胞傷害、自己免疫性の慢性腎炎が挙げら れる。現在慢性腎不全に対する有効な治療方法は見出されておらず、ループス腎 炎を初めとする炎症を主体とする場合にはステロイド系、非ステロイド系抗炎症 剤が、高血圧性腎不全の場合は降圧剤が対処療法として適用される。現在、糸球 体構成細胞、尿細管構成細胞に直接作用し保護する薬剤が望まれている。

### [0003]

一方、AOP-1遺伝子は、マウス赤白血病細胞をDMSOにより分化誘導させた場合 に発現量が増加する因子として同定された(Gene 80, 337-343, 1989: 当初の呼 称はMER-5であったが、後にAOP-1と改名された)。その後AOP-1タンパク質はper oxiredoxinファミリーに属することが判明し、Peroxiredoxin 3(PRx3)と文献記 述されることが一般化した(以下、本明細書ではAOP-1タンパク質をAOP-1と記載 する)。Peroxiredoxin familyは、精製蛋白質を用いた生化学的解析より、thio 1基特異的な抗酸化活性を有する(Proc. Natl. Acad. Sci. USA , Vol. 91, pp. 7017-7021, July 1994)ことを特徴とする一群の蛋白質であり、原核生物からヒ トを含む高等生物に広く保存されている。また、最近bacteria peroxiredoxinを 用いた解析から、peroxiredoxinには過酸化亜硝酸(peroxynitrite)を除去する 能力があることが見出された(Nature vol.407, 14, 2000 p211)。Peroxiredoxin familyの中でもAOP-1はミトコンドリアに局在することで、他のperoxiredoxin とは差別化されており(Methods in enzymology, vol. 300)、抗酸化蛋白として 広く知られるsuperoxide dismutase (SOD)やcatalaseが、抗酸化活性発現にthio 1基を要求しないことや、過酸化亜硝酸を除去できないこと等から、peroxiredox in familyはSOD, catalaseとは生理機能面でも異なることが予見される。最近細 胞質に存在するperoxiredoxin 1型及び、2型の生理機能として、培養甲状腺細 胞における過酸化水素傷害に対する保護作用が見出されたが(J. Biological Che mistry Vol. 275, No. 24, p18266-18270, 2000)、ミトコンドリアに局在するAOP-1 (peroxiredoxin 3型) の生理機能は見出されていない。また、AOP-1を含むper oxiredoxin familyは、未だにいかなる疾患との直接的関連性も示されていない

[0004]

# 【発明が解決しようとする課題】

本発明は、AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患(例えば、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患、腎不全等)の予防方法、治療方法又は診断方法、当該疾患の予防薬又は治療薬、当該製剤の有効成分に係る物質のスクリーニング方法、AOP-1遺伝子を発現抑制又は欠失する非ヒト形質転換動物、及び形質転換組織等を提供しようとするものである。

[0005]

# 【課題を解決するための手段】

発明者らは、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患、腎不全の共通現象である細胞機能低下、細胞死を誘導する共通原因を見出すため、一連の実験を行った。

### (1) 心不全

先ず、慢性心不全における代償期の破綻の原因を究明するため、心肥大から慢性心不全の進行に伴う、組織における各種のタンパク質の発現変化を測定した。組織抽出液中の蛋白質混合液を水可溶性画分と界面活性剤可溶性画分の粗画分に分離し、それぞれを2次元電気泳動によって解析した。慢性心不全の病態モデルラットとして大動脈狭窄ラット、動静脈シャントラット、遺伝的高血圧症ラット(SHR)、ダール食塩感受性ラット、心筋梗塞後心不全モデルラットを用いて比較解析を行った。多くのモデルで共通して代償期の破綻とともに発現量の変化する蛋白質を検索し、普遍的な慢性心不全関連蛋白質群を得た。その中の1つであるAOP-1タンパク質が、代償期の破綻とともに発現減少していることを見出した

# [0006]

慢性心不全の進行に伴う当該蛋白質の変化が、遺伝子発現レベルにおいて調節を受けたことによるかどうか調査するために、遺伝子発現解析を実施した。その結果、検討したすべてのモデルで当該遺伝子の発現抑制が見られたことから、慢性心不全の進行にともなうAOP-1の減少は、遺伝子発現調節を受けた結果であることが示された。また、2型PeroxiredoxinであるThiol-specific antioxidant (TSA)の遺伝子発現変化と、抗酸化活性機能において共通性のあるsuperoxide dismutase(SOD)、catalaseの遺伝子発現解析を行ったところ、TSA、SOD、catalaseは遺伝子発現量に変化が無いことが判明した。よって、AOP-1は、peroxiredoxinファミリー、代表的抗酸化蛋白の中で、特徴的に心不全期への移行に伴い発現減少することが判明した。

# [0007]

そこで、AOP-1の機能が、心臓機能の改善もしくは増悪化に対して何らかの作用を持つかどうか検証を行った。まず、ラットAOP-1遺伝子の全長遺伝子を単離し、適当な発現ベクターを構築した後、AOP-1遺伝子をラット培養心筋細胞へ導

入した。培養細胞を無酸素にて培養した無酸素処理、無酸素培養後再酸素化しさ らに一定期間培養を行った再酸素化処理、通常酸素濃度下で培養した無処理、の 各実験条件においてAOP-1遺伝子導入群と、強制的な遺伝子発現、蛋白質生産に よる影響を加味し無害無益な遺伝子である大腸菌 β -galactosidase遺伝子を導入 したコントロール群とで比較解析を行った。比較方法1として生存細胞数の確認 、比較方法2として生存細胞中で自律拍動を示す細胞数の確認、比較方法3とし てMTT 法 (T. Mosmann et.al. J. Immunol. Methods 65 (1983), pp. 55-63) に より生存細胞数と細胞代謝活性の確認を行った。以上3点の比較検討を行った結 果、コントロール群に対してAOP-1遺伝子導入群は、生存細胞数が無酸素処理、 再酸素化処理で有意に上昇し、同時に自律拍動能を持つ細胞数も有意に増加した 。またMTT 法では、コントロール群に対してAOP-1遺伝子導入群は、無酸素処理 ,再酸素化処理、無処理において高値を示し、障害時の生存生細胞数の増加と、 障害、正常時での代謝活性の亢進を示した。つまり、無酸素傷害、再酸素化傷害 に対して、AOP-1は細胞生存率、細胞機能維持の両面で高い有効性を示すことが 判明した。さらに我々は、AOP-1遺伝子の相補鎖を発現するようにデザインした 、anti-AOP-1発現アデノウイルスベクター(anti-AOP-1ベクター)を構築した。 一般に、この種のベクターから発現されたmRNAは内在性AOP-1遺伝子から発現し たmRNAと相補的に結合し、蛋白質への翻訳を阻害すると報告されている (Gene. 91(1990) 261-265) 。我々は、anti-AOP-1ベクター、AOP-1発現ベクター、β-ga lactosidase発現ベクターを心筋細胞に導入し、未導入細胞と共に3日間培養を 行った。それぞれに対し、MTT assayを行ったところ、anti-AOP-1ベクターを導 入したもので色素生成が抑制され、巨視的に生存細胞数の減少が観察された。つ まり、anti-AOP-1ベクターによって内在性AOP-1の発現が抑制されたことが、細 胞の生存に対して負の影響を及ぼしていることが判明した。先に我々は、抗酸化 機能で共通性のあるSOD, catalaseは代償機構の破綻、慢性心不全、慢性関節リ ウマチ、神経変性疾患、腎不全への移行に伴い発現量は変化しないことを見出し ており、抗酸化作用および細胞代謝活性化作用を有するAOP-1が減少することが 、代償機構破綻の一因をなす可能性が示された。この理由から、不全心に対する AOP-1の補充は、SOD, Catalaseの過剰発現よりも優位な保護作用を有することが 示唆される。

### [0008]

一般に、酸素欠乏状態における細胞内では、好気的エネルギー産生系から嫌気 的エネルギー産生系への切り替えが起こることが知られる(Trends Cardiovasc M ed 1998;8:24-33)。これによりクエン酸の蓄積等による細胞内酸性化傷害、また 嫌気的エネルギー産生系が好気的エネルギー産生系に対して非効率である故の細 胞内エネルギー枯渇傷害が発生すると考えられている。また、再酸素化時にはミ トコンドリアにおいて活性酸素種が発生することが示されており(Free Radic Bi ol Med 1992 Oct:13(4):289-97)、蛋白質、DNA、細胞膜リン脂質等の酸化を経て 細胞に傷害を与える。本発明において我々が初めて報告する結果から、AOP-1は 心筋細胞におけるこれらの傷害作用を除去し、細胞の正常な機能を維持する活性 を有することが明らかとなった。本発明で特に注目すべき点は、AOP-1が再酸素 化における活性酸素傷害のみならず、無酸素状態における各種傷害つまり、エネ ルギー枯渇傷害と細胞内酸性化傷害をも保護できたことであり、さらには通常酸 素濃度下における培養、即ち無傷害状態で細胞代謝機能を活性化したことである 。即ち、AOP-1の細胞機能保護作用及び細胞死抑制作用は、単に抗酸化作用のみ ならず、細胞代謝活性化作用を含む新たな機能に基づいてもたらされることが強 く示唆された。

### [0009]

さらにAOP-1が生体内で保護作用を発現するかどうか検証する目的でAOP-1遺伝子を心臓内に導入し、以下の解析を行った。遺伝子を導入後、蛋白質の発現を待ち、心臓をすばやく摘出し灌流装置に接続した。心臓を血液と同等量のガスを含んだ溶液で灌流することで摘出による傷害を抑え、生体内と同等の条件下で心臓機能を保持することに努めた。この心臓を虚血状態にする目的で一時的に灌流を停止し、また再酸素化することによる影響を調べる目的で再灌流を行った。AOP-1を強制発現させた心臓は、陰性対照蛋白である $\beta$ -galactosidaseを発現する心臓に対して、虚血時の心機能が良好に維持され、さらに再灌流時の機能回復が優位であることが判明した。この結果から、AOP-1は培養細胞のみならず、生体内においても虚血傷害、再灌流傷害を共に保護することが判明した。

# [0010]

虚血性心不全のみならず非虚血性の慢性心不全においても、心肥大に起因する 心筋組織内血行不全が報告されていることから(Chin Med Sci J, 10(3):151-7 1 995 Sep)、虚血、虚血再灌流は、慢性心不全病態に普遍的な傷害要因であると考 えられる。故に、当該蛋白質を慢性心不全もしくは慢性心不全兆候を示す病態の 心臓に補充することは、心筋細胞死を保護すると同時に、心臓拍出機能を維持さ せる慢性心不全に対する有効な治療方法となり得ることが示唆される。

# (2) 心臓以外の疾患形成部位

次に、AOP-1の機能が心臓以外の臓器においても、疾患形成に対して原因であるかどうかを調査する目的で、他の疾患臓器における遺伝子発現解析を行った。結果、腎炎モデルにおける腎、神経変性疾患モデルにおける脳及びコラーゲン誘発関節モデルにおける関節においてもAOP-1の発現が低下することが判明した。よって、AOP-1の発現低下が、多くの疾患における普遍的病態形成・悪化に対する一因であることが強く示唆され、AOP-1機能の補充は、多くのAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少に伴う疾患の治療に対して有効であることが示唆された。

### $[0\ 0\ 1\ 1]$

#### ア.脳

脳血管性細胞傷害では、細胞外グルタミン酸濃度の上昇によりGlutamate receptor (NMDAレセプター)の過剰な活性化が生じる。NMDAレセプターの活性化を受けた細胞は、そのカルシウムチャネルを開口させ、細胞内へのカルシウム流入を起こす。過剰なNMDAレセプターの活性化は、細胞にカルシウム過負荷状態をもたらす。このカルシウム過負荷によって神経細胞がアポトーシスもしくは、ネクローシスを起こし、脳機能障害が不可逆的なものとなる。先に示したようにAOP-1は多くの疾患に対し有効性を示す可能性があるが、実際にAOP-1が培養ニューロンにおけるカルシウム過負荷傷害を保護しうるかどうか検証した。結果、AOP-1遺伝子導入細胞は、有意に細胞死が抑制された。さらに、無負荷状態においては、神経突起の伸展を促進しニューロンの機能であるネットワーク形成を活性化することが判明した。よって、AOP-1は脳細胞においても、活性酸素傷害のみならずカルシウム過負荷に対する細胞保護作用をも有し、高い有用性を示すことが判

ページ: 13/

明した。

# [0012]

神経変性疾患動物モデルにおける有効性を確認するために、イボテン酸における脳障害モデルに対する解析を行った。イボテン酸は、NMDA受容体の作動薬であり、細胞内カルシウム過剰流入を惹起し、神経細胞死を誘発する。脳の海馬にAOP-1発現遺伝子を導入し、AOP-1の発現を誘導した後、同部位にイボテン酸を注入した。2日後脳を摘出し神経細胞を観察した。AOP-1遺伝子を導入していないものを対象群として比較解析すると、明らかにAOP-1遺伝子を導入した脳では、神経細胞死が抑制されていた。よって、AOP-1は脳内の神経細胞に対しても保護作用を有することが判明した。

# [0013]

#### イ. 関節

慢性関節リウマチでの有効性を確認する目的で、コラーゲン誘発関節炎モデル (CIAモデル)に対する解析を行った。CIAモデルは、牛コラーゲンをマウスに注射することによる、牛コラーゲンに対する免疫感作により、マウス自己コラーゲンに対する免疫作用が誘導され、自己免疫性関節炎を誘発するものである。本モデルは、慢性関節リウマチの基礎モデルとしての認識が一般化している。本モデルに牛コラーゲンを注入後、関節炎発症前に関節内にAOP-1遺伝子を導入した。AOP-1遺伝子を導入していない物を対照群として比較解析を行ったところ、明らかに AOP-1遺伝子を導入した群で関節炎病態への進行が抑制された。よって、AOP-1は慢性関節炎に対する有効性を有することが判明した。

### $[0\ 0\ 1\ 4]$

# ウ. 腎臓

慢性腎不全に対するAOP-1遺伝子の有効性を確認するため、Thy-1腎炎モデルに対する解析を行った。Thy-1腎炎モデルとは、腎糸球体細胞であるメサンギウム細胞に特異的に発現するThy-1 cell surface antigen (Thy-1)蛋白に対する抗体を注入することでThy-1に対する自己免疫感作を行う物であり、自己免疫作用によって、メサンギウム細胞の細胞死と、続いて尿細管の傷害が発生するものである。一般にThy-1腎炎モデルは炎症を主体とする腎不全モデルと考えられてい

る。Thy-1抗体と同時にAOP-1遺伝子を注入し、経時的に例えば血中クレアチンを 指標として腎機能を測定した。AOP-1非導入群を対象として比較解析した結果、A OP-1遺伝子導入群では有意に腎機能低下が抑制された。よって、AOP-1は慢性腎 不全に対する有効性を有すると考えられる。

# [0015]

我々は、正常なAOP-1の量が減少することが、当該疾患群の原因の一つであることを見出した。AOP-1の量が減ずることは、細胞内のAOP-1機能が減少したことと同義である故、遺伝的変異によってAOP-1の機能が低下した当該疾患も本特許の範疇に含むことが出来る。

### [0016]

以上により、AOP-1は、従来精製蛋白の機能として知られた抗酸化作用に加えて、今回我々が新たに見出した細胞代謝活性化作用を含む新たな作用に基づく細胞機能保護作用及び細胞死抑制作用や、カルシウム過負荷に対する細胞機能保護作用を有することが判明した。また、今回我々が示したAOP-1の細胞機能保護作用及び細胞死抑制作用が慢性心不全、慢性腎不全、神経変性疾患、慢性関節リウマチをはじめとする多くのAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の治療に対して有効であること見出し、本発明を完成した。

## [0017]

なお、本発明においてAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患とは、患部組織(例えば、心不全であれば心臓、脳であれば神経細胞、リウマチであれば関節等)において、AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現低下を呈する細胞を含有することを意味する。

#### $[0\ 0\ 1\ 8]$

即ち、本発明は以下の事項に係るものである。

(1) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の予防又は治療方法において、(1) AOP-1をコードする核酸、若しくはAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を導入すること、又は(2) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質を投与すること、か

らなる当該予防又は治療方法。なお、AOP-1遺伝子とは、通常、AOP-1をコードする核酸配列(エクソン配列)とその間にある核酸配列(イントロン配列)、さらにAOP-1遺伝子の転写を制御する核酸配列を含むことを意味するが、本発明において、特に明示されている場合を除き、AOP-1遺伝子とはAOP-1mRNAを意味する。

### [0019]

(2) AOP-1遺伝子に係る核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を患部組織に導入することからなる上記(1)記載の予防又は治療方法。

### [0020]

- (3) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質を投与することからなる上記(1) 記載の予防又は治療方法。
- (4) AOP-1の産生を増強する物質を投与することからなる上記(1)記載の 予防又は治療方法。

# [0021]

(5) AOP-1の産生を増強する作用を有する物質が、AOP-1遺伝子に係る核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸である上記(4)記載の予防又は治療方法。

### [0022]

- (6) AOP-1の機能を増強する物質を投与することからなる上記(1)記載の 予防又は治療方法。
- (7) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(1)乃至(6)記載の予防又は治療方法。

#### [0023]

(8) (1) AOP-1をコードする核酸若しくはAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸、又は(2) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強

する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質、を有効成分として含有するAOP-1 遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の予防薬又は治療薬。

### [0024]

(9) AOP-1遺伝子に係る核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を有効成分として含有する上記(8)記載の予防薬又は治療薬。

# [0025]

- (10) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質を有効成分として含有する上記(8) 記載の予防薬又は治療薬。
- (11) AOP-1の産生を増強する物質を有効成分として含有する上記(8)記載の予防薬又は治療薬。

# [0026]

(12) AOP-1の産生を増強する作用を有する物質が、AOP-1をコードする核酸 又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が 1 つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸である上記(11)記載の予防薬 又は治療薬。

## [0027]

- (13) AOP-1の機能を増強する物質を有効成分として含有する上記(8)記載の予防薬又は治療薬。
- (14) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(8)乃至(13)記載の予防薬又は治療薬。

#### $[0\ 0\ 2\ 8]$

(15) AOP-1遺伝子の発現量又はAOP-1の産生量を測定し、当該発現量又は産生量を指標として診断することからなるAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の診断方法。

#### [0029]

(16) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(15)記載の診断方法。

(17) AOP-1遺伝子の発現量又はAOP-1の産生量を指標として測定する手段を含むAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の診断剤又は診断キット。

# [0030]

(18) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(17)記載の診断剤又は診断キット。

# [0031]

(19) AOP-1の産生を抑制、AOP-1遺伝子の発現を抑制又はAOP-1遺伝子を欠失することによりAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の疾患モデルとして使用できる非ヒト形質転換動物。

# [0032]

(20) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(19)記載の非ヒト形質転換動物。

# [0033]

(21) AOP-1の産生を抑制、AOP-1遺伝子を発現抑制又はAOP-1遺伝子を欠失することによりAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の組織モデル又は細胞モデルとして使用できる形質転換組織又は形質転換細胞。

#### [0034]

(22) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(20)記載の形質転換組織又は形質転換細胞。

#### [0035]

(23)上記(18)乃至(21)記載の非ヒト形質転換動物、形質転換組織 又は形質転換細胞に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然 由来の物質又はそれらの誘導体である物質を投与又は添加し、AOP-1遺伝子の発 現量またはAOP-1の産生量を検出することを含む、AOP-1遺伝子の発現を増強する 物質、AOP-1の産生を増強する物質及びAOP-1の機能を増強する物質からなる群か ら選ばれる少なくとも1つをスクリーニングする方法。 [0036]

(24)合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質 又はそれらの誘導体である物質を、(1)AOP-1遺伝子の転写制御領域及びAOP-1 遺伝子若しくはレポーター遺伝子を有する形質転換細胞又は試験管内発現系と接 触させ、AOP-1遺伝子又はレポーター遺伝子の発現量を検出するこお、又は(2 )AOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、AOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出 すること、を含むAOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物 質及びAOP-1の機能を増強する物質からなる群から選ばれる少なくとも1つをス クリーニングする方法。

### [0037]

(25) AOP-1遺伝子の転写制御領域をレポーター遺伝子の翻訳領域の上流又は下流に連結した発現ベクターを構築後、適当な宿主細胞に導入して培養し、当該培養細胞に合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質を添加し、一定時間後にレポーター遺伝子の発現量又はレポータータンパク質の産生量の変化を検出することを含む上記(24)記載のスクリーニング方法。

#### [0038]

(26) 成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質をAOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、当該物質と結合した又は結合しなかったAOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出することを含む上記(25)記載のスクリーニング方法。

#### [0039]

(27) AOP-1又はAOP-1の標的分子を支持体に固定化し、当該固定化したAOP-1又はAOP-1の標的分子に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質とAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、結合した又は結合しなかったAOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出することを含む上記(24)記載のスクリーニング方法。

#### [0040]

(28) 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質

又はそれらの誘導体である物質を支持体に固定化し、当該固定化した物質にAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、結合した又は結合しなかったAOP-1又はAOP-1の標的分子の量を検出することを含む上記(24)記載のスクリーニング方法。

# [0041]

(29) 合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質 又はそれらの誘導体である物質を、AOP-1又はAOP-1の標的分子と接触させ、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去機能を測定することを含むAOP-1の機能を増強す る物質のスクリーニング方法。

### [0042]

(30) AOP-1又はAOP-1の標的分子に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質とAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去能を測定することを含む上記(29) 記載のスクリーニング方法。

#### [0043]

(31) AOP-1又はAOP-1の標的分子を支持体に固定化し、当該固定化したAOP-1又はAOP-1の標的分子に、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質又はそれらの誘導体である物質とAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去機能を測定することを含む上記(29)記載のスクリーニング方法。

#### [0044]

(32)合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた物質、天然由来の物質 又はそれらの誘導体である物質を支持体に固定化し、当該固定化した物質にAOP-1又はAOP-1の標的分子を添加し、AOP-1の抗酸化又は過酸化亜硝酸消去機能を測 定することを含む上記(29)記載のスクリーニング方法。

### [0045]

(33) (1) AOP-1遺伝子に係る核酸若しくはAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸、又は(2) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質の、AOP-1遺伝子又はAOP-1の発

現減少を伴う疾患の予防薬又は治療薬の製造のための使用。

### [0046]

(34) AOP-1遺伝子に係る核酸又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ 以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核 酸を有効成分として含有する上記 (33) 記載の使用。

#### [0047]

- (35) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質を有効成分として含有する上記(33)記載の使用。
- (36) AOP-1の産生を増強する作用を有する物質が、AOP-1をコードする核酸 又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1 の機能を有するポリペプチドをコードする核酸である上記(35) 記載の使用。

#### [0048]

- (37) AOP-1の産生を増強する物質を有効成分として含有する上記(33) 記載の使用。
- (38) AOP-1の機能を増強する物質を有効成分として含有する上記(33) 記載の使用。

#### [0049]

(39) AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患が、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患又は腎不全である上記(33)乃至(38)記載の使用。

#### [0050]

#### 【発明の実施の形態】

本発明に係るAOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の予防薬又は治療薬の有効成分として使用できる物質には以下の(1)乃至(3)に係る物質を挙げることができる。

## [0051]

(1) AOP-1遺伝子の発現を増強する作用を有する物質

AOP-1遺伝子の発現を増強する作用を有する物質は、合成若しくは遺伝子組換 え技術により得られた化合物又は天然由来の化合物並びにそれらの誘導体のいず れでもよいが、そのような物質としては、例えばAOP-1遺伝子のプロモーターやエンハンサー領域に作用しAOP-1遺伝子のmRNAへの転写を増強する作用を持つ物質、又は細胞中の転写因子等を介して同様の作用を示す物質(例えば、転写因子やco-activatorに結合し、DNAや他の転写因子、co-activatorへの結合を促進する物質、若しくは転写抑制因子やco-repressorに結合し、DNAや他の転写因子、co-repressorへの結合を抑制する物質等)が挙げられる。

# [0052]

# (2) AOP-1の産生を増強する作用を有する物質

AOP-1の産生を増強する作用を持つ物質は、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた化合物又は天然由来の化合物並びにそれらの誘導体のいずれでもよいが、そのような物質としては、例えばAOP-1をコードする核酸(RNA又はDNA:配列番号1乃至3)又はAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸(RNA又はDNA)が挙げられる。また、これらをウイルス改変ベクター等他の生物遺伝子中に挿入した物質も同様である。例えば、ウイルスベクター、好ましくはレンチウイルスベクター、アデノ随伴ウイルスベクター、更に好ましくはアデノウイルスベクター、又は化学合成リポソーム、ウイルスエンベロープ、若しくはウイルスエンベロープと合成リポソームの複合体等に、宿主細胞内で機能するようなプロモーター配列、例えばサイトメガロウイルスプロモーター(CMV promoter)等、の下流にAOP-1遺伝子を組み込んだ核酸配列を組み込んだものを挙げることができる

# [0053]

また、TNF- $\alpha$ の場合、転写後mRNAの安定性によってTNF- $\alpha$ 産生が調節されており、HuR蛋白質の結合により安定化されることが知られているが、同様に、AOP-1 mRNAと結合する物質若しくは蛋白質あるいは核酸で、AOP-1 mRNAの分解を阻害する物質若しくは、翻訳の効率を上昇させる活性を有する物質も挙げることができる。

### [0054]

# (3) AOP-1の機能を増強する作用を有する物質

AOP-1は、活性部位システイン残基の酸化還元を酵素的に可逆化することによって酸化並びに過酸化亜硝酸活性を消去する。AOP-1の機能を増強する物質は、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた化合物又は天然由来の化合物並びにそれらの誘導体のいずれでもよいが、そのような物質としては、例えばこの活性化部位システイン残基に結合し、酸化還元サイクルを促進させる物質や、AOP-1の活性部位以外に結合しアロステリック効果によって活性部位の酸化還元サイクルを促進させる物質を挙げることができる。また、AOP-1とAOP-1が作用するAOP-1標的分子(例えば、受容体)の結合や細胞内でのシグナル伝達を促進し、AOP-1のもつ活性を亢進する物質が挙げられる。例えば、thioredoxinタンパク質はAOP-1に結合し、生化学的な抗酸化活性を上昇させることが分かっている。このようなAOP-1機能を増強させる蛋白質それ自体又は遺伝子の導入、化学合成物質等による誘導を介して、間接的にAOP-1の機能を増強することで、有効性を発揮する物質が挙げられる。また、AOP-1を特異的に分解するプロテアーゼの活性阻害物質等も含まれる。

### [0055]

### (4) 製剤

上記のような物質を有効成分として含有する製剤は、通常の製剤化の際に用いられる担体や賦形剤、その他の添加剤を用いて調製される。

#### [0056]

本発明に係る医薬組成物の有効成分は、遊離型であっても、その医薬的に許容し得る塩であってもよい。無機酸との塩としては、例えば塩酸、硫酸、リン酸との塩が挙げられ、あるいは有機酸との塩としては、例えばギ酸、酢酸、酪酸、コハク酸、クエン酸等との酸付加塩として用いることができる。塩は、ナトリウム、カリウム、リチウム、カルシウム等の金属塩、有機塩基による塩の形態であってもよい。

# [0057]

有効成分は、公知の薬理学的に許容し得る担体、賦形剤、希釈剤等と混合して 医薬に一般に使用されている投与方法、例えば、経口投与方法、又は静脈内投与 、筋肉内投与もしくは皮下投与等の非経口投与方法によって投与するのが好まし

い。本発明の医薬組成物は、例えば、有効成分を生理学的に許容される担体、香 味剤、賦形剤、安定剤、希釈剤、乳濁剤、溶液剤、懸濁剤、シロップ剤等と、適 官混和することにより製造することができ、錠剤、散剤、顆粒剤、溶液剤等とし てもちいることができる。錠剤などに混和することができる添加剤としては、例 えばゼラチンのような結合剤、コーンスターチのような潤滑剤等を用いることが でき、また糖衣又は易溶性若しくは腸溶性物質のフィルムにより被膜してもよい 。カプセルの剤型である場合には、前記の組成物に更に液状担体を含有させるこ とができる。注射のための無菌組成物も、通常の処方を適用して製造することが できる。注射用の水性液としてはブドウ糖などを含む等張液などがあげられ、ポ リエチレングリコールのような適当な溶解補助剤などと併用してもよい。また、 緩衝剤、安定剤、保存剤、酸化防止剤、無痛化剤などと配合してもよい。有効成 分がペプチドの場合、経口投与では消化管内で分解を受けるため、この投与方法 は一般的には効果的ではないが、消化管内で分解を受けにくい製剤、例えば活性 成分であるペプチドをリポソーム中に包容したマイクロカプセル剤として経口投 与することも可能である。また、直腸、鼻腔内、舌下などの消化管以外の粘膜か ら吸収せしめる投与方法も可能である。この場合は座剤、点鼻スプレー、舌下錠 といった形態で投与することができる。

## [0058]

また、遺伝子治療に用いる場合にはウイルスベクター、好ましくはレンチウイルスベクター、アデノ随伴ウイルスベクター、更に好ましくはアデノウイルスベクター、又は化学合成リポソーム、ウイルスエンベロープ、若しくはウイルスエンベロープと合成リポソームの複合体等公知の遺伝子治療に適した媒体に、宿主細胞内で機能するようなプロモーター配列、例えばサイトメガロウイルスプロモーター(CMV promoter)等、の下流にAOP-1遺伝子又はAOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質に係る核酸を組み込んだものを用いることができる。

#### [0059]

本発明の医薬組成物の投与量は、治療に用いられる場合、治療に有効な投与量が決められるが、当該投与量は投与対象者の年齢、体重、症状の程度及び投与経

路等によって異なり、個々の場合に応じて決められる。通常、経口投与による場合、成人一日当たりの投与量は0.1~1000mg程度であり、これを1ないし数回に分けて投与すればよい。

### [0060]

# (5) スクリーニング方法

本願発明に係る予防薬又は治療薬の有効成分として用いうる物質のスクリーニング法としては、例えば以下の方法が挙げられる。

### [0061]

AOP-1遺伝子の発現増強又はAOP-1の産生を増強する物質のスクリーニングに用いるAOP-1遺伝子若しくはAOP-1又はそれらの誘導体は、何れの種由来のものであってもよく、例えばヒト(AOP-1遺伝子:配列番号1、AOP-1:配列番号4)、ラット(AOP-1遺伝子:配列番号2、AOP-1:配列番号5)、マウス(AOP-1遺伝子:配列番号3、AOP-1:配列番号6)等哺乳動物由来のものが挙げられる。これらのうち、ヒトに対する予防薬又は治療薬の研究、開発に利用する上ではヒト由来のものを用いることが好ましい。また、動物モデル、即ち、AOP-1遺伝子を発現抑制又は欠失したことによる慢性心不全症状等を有する非ヒト形質転換動物を用いた研究、開発の必要性からは、例えばマウス、ラット等の動物由来のものを用いることが好ましい。但し、動物モデルを用いて薬剤スクリーニングを行う場合には、ヒト由来のものを用いることが望ましい。

#### [0062]

AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質、又はAOP-1の機能を増強する物質のスクリーニング方法においては、レポーター遺伝子を利用した方法が一般に利用されている。レポーター遺伝子としては例えば、クロラムフェニコールアセチルトランスフェラーゼ(CAT)、 $\beta$ -ガラクトシダーゼ( $\beta$ -Ga 1)、ルシフェラーゼなどが利用できる。AOP-1遺伝子の発現を増強する物質は、例えば、AOP-1遺伝子の転写制御領域(プロモーター、エンハンサー領域等)をレポーター遺伝子の翻訳領域の上流又は下流に連結した発現ベクターを構築し、適当な培養細胞等に導入し、その培養細胞に試料である物質(当該物質は、合成若しくは遺伝子組換え技術により得られた化合物又は天然由来の化合物並びにそ

れらの誘導体のいずれでもよい)を添加して、一定時間後にレポーター遺伝子の発現量、またはレポータータンパク質の量を測定することによりスクリーニングすることができる。AOP-1遺伝子の転写制御領域(プロモーター、エンハンサー領域等)は市販の遺伝子(genomic)ライブラリーから、AOP-1 cDNAの断片をプローブとしてプラークハイブリダイゼーションを行うことなどにより得ることができる。レポータータンパク質の量は酵素活性として測定することでもよいし、タンパク質の発現量として抗体などを用いて測定することでもよい。

### [0063]

また、AOP-1の産生を増強する物質には、AOP-1配列を含むDNAまたは、RNAが含まれ、これをリポソームや、ウイルス改変ベクターに組み込むことでも同様の効果を得る事が出来る。

## [0064]

AOP-1の機能を増強する物質のスクリーニング方法としては、更に、過酸化水素とAOP-1、チオール基をもつ還元剤(例えばdithiothreitol)、酵素活性測定が可能なモニター酵素の4種類を混合し、一定時間後のモニター酵素活性を測定することで行うことが挙げられる(Biochemical and Biophysical Research Communications Vol. 199, No. 1, pp. 199-206, 1994)(Journal of Biological Chemistry Vol. 271, No. 26, pp. 15315-15321, 1996)。また、過酸化亜硝酸(peroxynitrite:例えば、酸性化亜硝酸塩と過酸化水素の混合によって得られる)の場合、過酸化亜硝酸とAOP-1、酵素活性測定が可能なモニター酵素又は過酸化亜硝酸によって修飾される物質(例えばDNA)の3種類を混合し、一定時間後のモニター酵素活性又は物質の修飾量を測定することで行うことができる(Nature Vol. 407, 14, pp. 211-215)。即ち、ラジカル傷害によって、モニター酵素が失活することに対するAOP-1の保護活性を測定することによりAOP-1の機能を増強する物質をスクリーニングすることができる。

## [0065]

### (6)診断方法、診断剤及び診断キット

AOP-1遺伝子は、その発現量が種々の疾患において疾患の悪化とともに減少することが本発明者らにより明らかにされた。患者のバイオプシーサンプルを用い

て、AOP-1遺伝子の発現量を測定することにより、慢性心不全の増悪化の程度を知ることができる。例えば、患者のバイオプシーサンプル100mgからISOGEN(ニッポンジーン社)を用いて総RNAを抽出し、DNase処理を行った後に、cDNA合成を行い、適当なプライマーを用いて、PCR反応によりAOP-1遺伝子を増幅し、ゲル電気泳動によってAOP-1に相当するバンドの濃さを判定するなどの方法により、AOP-1遺伝子の発現量を測定することができる。AOP-1遺伝子発現の定量は、この方法に限らず、例えば実施例3に記載の方法やノーザンハイブリダイゼーション法、cDNAアレイ法などをはじめRNA,DNAの定量法であればどのような方法も利用できる。

# [0066]

また、本発明によりAOP-1遺伝子が種々の疾患の改善因子であることが示されたことにより、AOP-1遺伝子及びその制御領域に何らかの変異が存在することによりAOP-1の機能が低下したり、遺伝子発現量が減少したりする場合には、その変異を持つ個体は、慢性心不全等の疾患になり易い、あるいは、増悪化しやすい傾向を持つことが容易に考えられる。そこで、これらの遺伝子上の変異を試験することで、リスクファクターの診断が可能となる。遺伝子上の変異を知る方法としては、例えば、患者の血液サンプルから定法に従ってDNAを分離し、実施例1-5に記載の方法により、その塩基配列を決定し、正常な配列と比較することにより行うことができる。また、一旦変異と慢性心不全の関係が明確になれば、その変異のみを検出するDNAチップ法、SSCP法などが利用できる。

### [0067]

また、慢性心不全患者を伴う疾患に羅漢した患者のバイオプシーサンプルを用いて、心筋細胞内AOP-1の濃度を測定することにより、慢性心不全もしくは、上記疾患の増悪化の程度を知ることができる。測定方法としては、例えば、AOP-1に対する抗体を利用したELISAまたはRIA法、HPLCやマススペクトロメトリーによる定量法などが利用できる。この際、AOP-1は完全な形である必要はなく、測定可能であれば断片化したものでも良い。

### [0068]

更に、本発明は上記の測定手段等を用いたAOP-1遺伝子の発現量又はAOP-1の産

生量を測定する手段を含む慢性心不全の診断剤又は診断キットを包含する。

(7)AOP-1遺伝子導入形質転換動物及び形質転換ヒト細胞または組織等 本願発明に係る物質の同定は上記(5)スクリーニング方法に記載したが、AO P-1の発現を抑制したことによる、慢性心不全症状等を有する非ヒト形質転換動 物を利用して行う事も可能である。宿主動物たる非ヒト動物としては、マウス、 ラット、ウサギなどの小動物のほか、イヌ、ブタ、ヒツジ、ウシなどの大動物も 対象となり、遺伝子を発現し、機能や生理作用を確認しうる動物であればどのよ うな動物でも良い。遺伝子発現を抑制することは、AOP-1転写調節領域に変異若 しくは欠失等を導入することにより可能であるが、遺伝子発現を抑制するのであ れば如何なる方法を用いても良い。また、AOP-1の産生抑制は、AOP-1mRNAに対 して相補的なDNA又はRNAを導入もしくは、当該相補配列をコードする遺伝 子を導入して得られるが、AOP-1の産生を抑制できれば如何なる方法を用いても 良い。また、遺伝子欠失の方法としては、胎性幹細胞を用いたノックアウトマウ ス技術が挙げられるが、遺伝子の発現を抑制するシステムであればどのようなシ ステムを用いても良い。また、ヒト細胞、または組織にAOP-1遺伝子を導入した ことによりストレス耐性化した形質転換細胞、形質転換組織を用いて、外科的な 治療を行うことも可能である。例えば、心臓移植時にドナー心臓にあらかじめAO P-1遺伝子の導入を行ったものを用いることにより、移植後の拒絶反応に対し耐 性を獲得させ、免疫抑制剤の投与量を減らすことが考えられる。また、心筋梗塞 を呈した心臓では、虚血部位で心筋壊死が発生しているが、この領域に心筋細胞 を補充する事で心機能が回復することが考えられる。しかし、壊死部での血流状 態は悪く、単に心筋細胞を補充することでは移植心筋細胞のダメージも免れない 。そこであらかじめAOP-1遺伝子を導入したことにより虚血に耐性を持たせた形 質転換心筋細胞を移植に用いることによって、移植心筋細胞はより良好に機能す

[0069]

#### 【実施例】

ることが予想される。

実施例1:蛋白質2次元電気泳動法によるAOP-1の検索

1-1. 慢性心不全病態モデルラットの作製及び左心室サンプルの採取

# A. ダール慢性心不全モデルラット

ダールラットはSpague-Dawley系ラットにおいて、8%の高食塩含有食を負荷し、継代交配を行うことにより、3代で高血圧易発性の食塩感受性ラット(Dahl-S)と、高血圧を生じない食塩抵抗性ラット(Dahl-R)とに分離されたものである。Dahl-Sラットについては京都大学の木原らの研究により、6週齢より8%の高食塩含有食を負荷することにより、代償性左室肥大を呈した後、収縮不全を伴う左室拡大、すなわち非代償性慢性心不全へと移行し、肺鬱血により死亡することが示されている(Am. J. Physuol., 267, H2471-2482(1994))。本モデルはモデルの作製に特殊な手法を必要とせず、短期間で慢性心不全を発症させることができ、また、一個体において代償肥大期と非代償慢性心不全期に明瞭に区分でき、ヒトの高血圧性慢性心不全と発症過程が類似している。

# [0070]

雄性ダール食塩感受性ラット(Dahl-S)(清水実験材料)を6週齢より8%高食塩含有食で飼育し、心肥大期(11週齢)および慢性心不全期(14週齢)に左心室を採取した。

B腹部大動脈狭窄ラット(圧負荷モデル:圧負荷によるラット心肥大モデル:AOB)の作製及び左心室サンプルの採取)

実験にはSprague-Dawley系の9週齢雄性ラットを用いた。ペントバルビタールナトリウム(40mg/kg)の腹腔内投与によりラットを麻酔し、腹臥位に固定して開腹後、腹部大動脈を露出させ、左右の腎動脈間の部分を剥離した。21G注射針を大動脈に沿わせ、左右の腎動脈間で大動脈とともに絹糸で結紮し、その後注射針を引き抜くことにより、大動脈狭窄を行った。本モデルにおいてはこのような腹部大動脈狭窄により収縮期血圧が上昇し、心臓の後負荷が増大して、左心室の肥大が生じる。偽手術 [Sham-operation (Sham)]群には腹部大動脈の剥離のみを施した。

### [0071]

動脈の狭窄により収縮期血圧は手術後3ヶ月目、17ヶ月目においてそれぞれ232 mmHg、188mHgと通常より高い値を示した。3ヶ月目で、心重量/体重比の有意な

上昇を認め、さらに、17ヶ月目のラットは3ヶ月目に比べ心機能の指標であるFractional Shortening (FS)が52%から26%に低下した。よって狭窄手術後3ヶ月目を代償性肥大期、17ヶ月目を非代償慢性心不全期とし、それぞれの左心室ならびに偽手術群の左心室を採取した。

C. 腹部動静脈シャントラット(容量負荷モデル:容量負荷によるラット心肥大モデル)の作製及び左心室サンプルの採取:ACS)

実験にはSprague-Dawley系の9週齢雄性ラットを用いた。ペントバルビタールナトリウム(40mg/kg)の腹腔内投与によりラットを麻酔し、腹臥位に固定して開腹後、腹部大動静脈を露出させ、大動脈の腎動脈分岐部及び大腿動脈分岐部において、それぞれクランプで血流を停止した。止血した部位で大動脈内に18G注射針を挿入し、大静脈へと貫通させ、動静脈シャントを作製した。注射針を引き抜き、動脈部の傷口を手術用接着剤で塞ぎ、クランプをはずした。シャント部で静脈内に動脈血が流入するのを確認した後、閉腹した。本モデルにおいてはこのような腹部大動静脈シャントの形成により、静脈圧が上昇し、心臓の前負荷が増大して、右心房、右心室、左心房、左心室の順に負荷が加わり肥大が生じる。さらに、静脈系のコンプライアンスが低いため血液が貯流し、肺うっ血を呈する。偽手術 [Sham-operation (Sham)] 群には腹部大動静脈の剥離のみを施した。

### [0072]

術後、3ヶ月、11ヶ月において、心エコーによる心機能測定を行った後、解剖、心重量ならびに解剖所見を確認した。手術後3ヶ月目にくらべ11ヶ月目のラットではヘマトクリット値が低下すると共に全例で肺水腫が生じており、容量負荷が進行したものと思われた。また右心系の心重量/体重比や肺重量/体重比が増加し、右心室から肺にかけての鬱血が示唆された。FSは57%から31%に低下した。したがってシャント手術後3ヶ月目を代償期、11ヶ月目を非代償慢性心不全期と判断し、それぞれの左心室ならびに偽手術群の左心室を採取した。

D. 自然発症高血圧ラット(圧負荷モデル) の作製及び左心室サンプルの採取)

自然発症高血圧ラットとして知られているSHRラットを飼育し、経時的に血圧、心エコー測定を行った。3ヶ月齢のSHRは血圧および心重量/体重比が通常より高く、高血圧による心肥大を呈していた。19ヶ月齢では、立毛、うずくまりなどの外見に加え、FSは56%から32%に低下、収縮期血圧も低下し慢性心不全を呈した。さらに、胸水、浮腫などの症状が見られた。それぞれ解剖によって左心室を採取した。

# E. 心筋梗塞後心不全モデルラットの作製及び左心室サンプルの採取)

体重180g-200gのSprague-Dawley(SD)ラットを用いて冠動脈の結紮を行った。結紮後4週後、心機能の測定、心臓摘出後、心肺重量 (左右心室、肺)の測定を行った。心機能では、拡張末期圧、最大収縮期圧の測定を行った。拡張末期圧は心不全の悪化に伴い上昇するが、今回のモデルでは、sham群に対しVehicle群では3.1倍の上昇が見られた。最大収縮期圧はsham群に対しVehicle群では29%低下した。右心室重量と体重の比は、心肥大に伴い上昇するが、今回のモデルではsham群に対しVehicle群で2.2倍の上昇が見られた。肺重量は心機能の低下に伴いうっ血のため上昇するが、今回のモデルでは、sham群に対しVehicle群で2.3倍の上昇が見られた。よって、本モデルは、心筋梗塞後の心肥大による代償期を経て心不全に至る典型的な心不全モデルであると思われる。

# [0073]

解剖によって左心室非梗塞領域を採取した。

#### 1-2. 蛋白質サンプルの作製

rat heart 1/4 量に対し、1 mlのhomogenize buffer 1 (20mM Tris HCl pH7.4 , 1mM EDTA, 1mM EGTA, 1mM PMSF) を添加した。Homogenizerを用いて組織を破壊した後さらに、超音波処理を施した。遠心操作で上清を得、可溶性の蛋白画分とした。沈殿を同homogenize bufferにて洗浄した後、沈殿と同体積のhomogenize buffer 2 (homogenize buffer 1 +2% triton X100) を加え再混合して遠心後の上清を膜蛋白質・膜相互作用蛋白画分とした。



# 1-3. 蛋白質の定量

蛋白中のペプチド結合が銅の二価イオンをキレートし、Bicinchoninic acid(B CA)と反応して紫色を呈する現象を利用した BCA法を簡便化したPierce社製の蛋白質定量キットを用いて行った。標準蛋白にはキット付属の牛血清アルブミンを用いた。

# 1-4. 二次元電気泳動

#### A. 一次元電気泳動

125~750 µ g相当の蛋白質をサンプルバッファー (8M Urea, 0.5% Triton X-10 0, 10mM DTT, Orange G 微量) に懸濁し、これをもって乾燥ゲル (Pharmacia Bi otech. 社製Immobiline Drystrip) を膨潤させた。Pharmacia Biotech. 社製Multi phor IIを用い、製造者の標準操作方法にて泳動を行った。泳動後は-20℃にて1 週間を限度に保存し、随時二次元電気泳動に供した。

# B. 二次元電気泳動

上記ゲルを平行化バッファー(50mM Tris-HCL, 6M Urea, 30% glycerol, 1% S DS)を用いて前処理した後、poly acrylamide gel 上に設置した。これをBiorad 社製の電気泳動装置を用いて泳動した。泳動後直ちに蛋白をゲル中に固定化すると同時に銀染色法を用いて染色し、二次元電気泳動像を得た。

#### 1-5 蛋白発現比較解析

同一サンプルに対して最低2回の電気泳動を行い、群内の最低2個体に関して発現変化に再現性のある蛋白をそれぞれのモデルでピックアップした。それらのピックアップされた蛋白の中で、多くのモデルで共通して変化する因子を慢性心不全関連蛋白質と位置づけた。その中で後述の実施例1-6によってAOP-1と同定された蛋白質スポットを数値化したグラフを図1に示した。図1において、Dahl、AOB、ACS、SHRは、それぞれ上述した1-1. A. からD. で作製した慢性心不全病態モデルラットをいう。

# 1-6 蛋白質の同定

# A. 目的蛋白質のpolyacrylamide gelからの回収

ゲル片を適当なバッファーで洗いSDSを除いた。ゲル内にtrypsin(PROMEGA社)を 浸透させ、ゲル中で目的蛋白質を消化することにより断片化し、ゲル網目から溶 出させた。

#### B 質量分析によるAOP-1の同定

上記Aにて得られた目的蛋白質の断片群を混合物のままMicroMass社製質量分析機(エレクトロスプレー イオン化法/飛行型質量分析機)を用いて解析し、目的蛋白質断片群の質量情報を得た。さらに一部の断片にヘリウムガスを照射しペプチド結合の開裂を行うことによって、蛋白質断片の内部配列N末[H(I/L)SVNDL] C末と質量情報(親イオン分子量1206.6、娘イオン1069.481,956.428,869.418,770.379,656.336,541.324,428.244)を得た。これらの情報を基に、インターネット上で公開されている遺伝子配列データベースに対して検索を行いAOP-1を同定した(SwissProt Accession No. P20108:配列番号 6)。

#### 実施例 2:AOP-1遺伝子の発現解析

実施例1-1-A~Dに記載の方法にて得た左心室をサンプルとして用いた。

#### [0074]

総RNAは各左心室よりISOGEN(ニッポンジーン社)を用いて説明書に記載の方法に従って調製し、DNase処理を行った。DNase処理した総RNAそれぞれ1μgより反応液50μ1でTaqMan(登録商標) Reverse Transcription Reagents(PE Applied Biosystems社)を用いてcDNAを合成した。遺伝子の発現解析はABI PRISM 770 0(PE Applied Biosystems社)を用いたリアルタイムPCR定量システムにより定量した。AOP-1検出用のプライマーおよびTaqManプローブはプライマーデザインソフトウェアABI PRISM Primer Expressを用いてmouse AOP-1 cDNAの塩基配列を基に設計した。フォワード プライマー 5'TGCAGTTTCAGTGGATTCCCA3'(配列番号:7)、リバース プライマー 5'TTCATGTGGCCCAAACCA3'(配列番号:8)、TaqManプローブ 5'TCTTGCCTGGATCAACACCAAGAAAG3'(配列番号:9)。

[0075]

リアルタイムPCR定量反応は上記cDNA  $1\mu$ lを鋳型として反応液 $40\mu$ lでTaqMan (登録商標) Universal PCR Mater Mix (PE Applied Biosystems社) を用いて説明書に記載の方法に従って行った。解析結果は図2に示した。その結果すべてのモデルにおいて慢性心不全病態の進行に伴い $\Delta$ OP-1遺伝子の発現低下が見られた。

実施例 3: TSA(PRx2), Cu-Zn SOD, Catalase遺伝子の発現解析 実施例 1-1,Eに記載の方法にて得た左心室をサンプルとして用いた。 【0076】

総RNAは各左心室よりISOGEN (ニッポンジーン社) を用いて説明書に記載の方 法に従って調製し、DNase処理を行った。DNase処理した総RNAそれぞれ1μgより 反応液50μlでTagMan(登録商標) Reverse Transcription Reagents (PE Appli ed Biosystems社)を用いてcDNAを合成した。遺伝子の発現解析はABI PRISM 770 O (PE Applied Biosystems社) を用いたリアルタイムPCR定量システムにより定 量した。検出用のプライマーおよびTagManプローブはプライマーデザインソフト ウェアABI PRISM Primer Expressを用いてrat TSA, Cu-Zn SOD, catalase cDNA の塩基配列を基に設計した。rat TSAフォワード プライマー 5'CCCTCTGCTTGCTGA TGTGACT3'(配列番号:10)、リバース プライマー 5'CCTGTAAGCGATGCCCTCAT3 '(配列番号:11)、TagManプローブ 5'AGCTTGTCCCAGAATTACGGCGTGTTGAA3'( 配列番号:12)。Cu-Zn SODフォワード プライマー 5'GCGGATGAAGAGAGGCATG3' (配列番号:13)、リバース プライマー 5'GCCACACCGTCCTTTCCA3'(配列番号 :14)、TaqManプローブ 5'TGGAGACCTGGGCAATGTGGCTG3'(配列番号:15)。 catalaseフォワード プライマー 5'ACGGGTGCTCAGCCTCC3'(配列番号:16)、 リバース プライマー 5'AGGCTTGTGCCCTGCTTC3'(配列番号:17)、TaqManプロ ーブ 5'CAGCCTGCACTGAGGAGATCCCTCA3'(配列番号:18)。

[0077]

リアルタイムPCR定量反応は上記cDNA 1μlを鋳型として反応液40μlでTaqMan (登録商標) Universal PCR Mater Mix (PE Applied Biosystems社製) を用い

て説明書に記載の方法に従って行った。解析結果は図3に示した。その結果sham 群に対してvehicle群でAOP-1遺伝子の有意に発現低下が見られたのに対し(p=0. 05)、TSA, Cu-Zn SOD, Catalaseでは遺伝し発現変化は見られなかった。

実施例4:ラットAOP-1 cDNAのクローニング

3-1 rat AOP-1PCR断片のクローニング

実施例2にて作成したcDNAを鋳型として用い、フォワード プライマー 5'AACC GCGGTCGTGGCTCTTGCGTTCTCT3'(配列番号:19)、リバースプライマー 5'GCGCT AGCTTATTGATGGACCTTCTCAAAG3'(配列番号:20)を用いてPCRを行い、増幅産物をPCR IIベクター(インビトロジェン社)にTAクローニングした。

# 3-2 塩基配列の決定

塩基配列は、THERMO Sequenase<sup>TM</sup>II dye terminator cycle sequencing kit (アマシャムファルマシア社製)を用いて自動DNA配列読み取り装置モデル373A (Applied Biosystems社製)で解析することにより決定した。得られた遺伝子配列をGenBankのデーターバンクに照会した結果、クローンの1つ (pFH1) がラットAOP-1(Genebank Accession No. AF106944:配列番号2)と一致する遺伝子であることが判明した。

#### 実施例 5:rAOP-1発現アデノウイルス改変ベクターの構築

5-1. adenovirus vector AOP-1 cosmidの構築

アデノウイルス改変ベクターの構築は、宝酒造株式会社製Adenovirus Express ion Vector Kitを用いて行った。実施例3にて構築したpFH1からAOP-1遺伝子を含むSacII, NheI断片を切り出し、pQBI25(宝酒造株式会社製)にクローニングした。後にNheI, BamHIでGFP遺伝子を欠失させることにより、CMV promoterの下流にAOP-1遺伝子、その下流に牛Growth hormone由来のpoly Aシグナルを持ったAOP-1発現ユニットを構築した。この発現ユニットをBglII, DraIIIを用いて切り出し、DNA Blunting Kit(宝酒造株式会社製)を用いて末端を平滑化し、Adenovirus Expression Vector Kit付属のコスミドpAxcwのSwaI siteにクローニングした

0

#### 5-2. 293細胞を用いたAdenovirus AOP-1発現 vectorの作製と増幅

上記のコスミドとAdenovirus Expression Vector Kit付属のDNA-TPCを293細胞 (Bio Whittaker社製) にco-transfectionした。293細胞内で、AOP-1 cosmidと、DNA-TPCが相同組換えを起こし、Adenovirus AOP-1発現 vectorが構築され、29 3細胞が恒常的に発現するE1蛋白の働きを借り、ウイルスとして増殖する。なお、作成したAdenovirus AOP-1発現 vectorはE1遺伝子を欠失しており、人為的にE1遺伝子を構成的に発現するよう形質転換された細胞内(例えば293細胞)でしか増殖することが出来ない。

#### 5-3. Adenovirus AOP-1発現 vectorのタイターチェック

実施例4-2にて構築されたAdenovirus AOP-1発現 vectorのタイターチェックは、Adenovirus Expression Vector Kit付属のマニュアル記載の方法に順じて行った。

#### 実施例6:ラット培養心筋細胞の作製とAOP-1遺伝子導入

生後1?3日目の新生児ラットをエーテル麻酔し、decapitation後心臓を摘出した。心室を単離し、collagenase(warthington biomedical corporation社製)消化によって細胞を分散させた。Percoll(amersham pharmacia biotech社製)を用いて密度勾配遠心を行い、心筋細胞と、非心筋細胞を分取した。牛胎仔血清(EQU ITECH-BIO社製)を終濃度10%で混合した日研生物医学研究所社製D-MEM(low glu cose)培地を用いて、分取した心筋細胞を培養した。実施例 5 にて作製したAdeno virus AOP-1発現 ベクターを1.6×10<sup>2</sup>(M.O.I.)で1時間感染させた後、培地にて2回洗浄した。24時間培養後、実施例 7 に供した。

実施例 7:遺伝子導入細胞に対する無酸素培養、再酸素化ストレス応答解析 実施例 5 と同様の方法にて作製した  $\beta$  –galactosidase adenovirus vectorを用 いて、実施例 6 と同様の方法にて作製した  $\beta$  –galactosidase強制発現細胞を作製 した。これを遺伝子導入系にて無害無益蛋白質を強制発現させたコントロール群に位置づけ、以下の実験に加えた。実施例 6 にて作製したAOP-1強制発現細胞とコントロール細胞を、無酸素培養系に24時間、その後大気酸素濃度、5%炭酸ガス濃度での通常培養系に戻し(再酸素化)72時間培養を行った。また、同時に通常酸素濃度で、24時間培養を行った対照群も作製した。通常酸素下で培養した細胞、無酸素培養後、再酸素化培養後の細胞をそれぞれサンプリングし、顕微鏡下で観察を行った。生存する細胞数、自律に拍動する細胞数を測定し統計処理した。その後、ミトコンドリア呼吸鎖に属するsuccinate-tetrazolium reductase系が、MTT試薬(ナカライテスク社製)を還元することを利用した、細胞生存率、細胞代謝活性測定試薬を用いて解析を行った。

#### [0078]

その結果、通常酸素濃度下で培養したAOP-1導入群、コントロール群間では、細胞生存率に差が無かったのに対して、無酸素条件下24時間培養後、再酸素化培養後の細胞生存率は、AOP-1遺伝子導入群で有意な増加を示した(図4)。また、無酸素条件下24時間培養後、再酸素化培養後の細胞自律拍動率は、AOP-1遺伝子導入群で有意な増加を示した(図5)。さらに、MTTを用いた実験においても、無酸素条件下24時間培養後、再酸素化培養後において、AOP-1遺伝子導入群で有意にMTT分解活性の上昇が観察された(図6)。特に、通常酸素濃度下における培養つまり無傷害状態で細胞代謝機能を活性化したこと(図6)より、AOP-1はミトコンドリア機能を向上させる可能性が示唆された。

#### [0079]

一般に、酸素欠乏状態における細胞内では、好気的エネルギー産生系から、嫌気的エネルギー産生系への切り替えが起こり、クエン酸の蓄積等による細胞内酸性化傷害、嫌気的エネルギー産生系が好気的エネルギー産生系に対して非効率であるために、細胞内エネルギーの枯渇傷害が発生すると考えられている。また、再酸素化時には、ミトコンドリアにおいて活性酸素種が発生することが示されており、蛋白質、DNA、細胞膜リン脂質等の酸化を経て細胞に傷害を与える。本実施例における結果から、AOP-1は心筋細胞におけるこれらの傷害を除去し、細胞の正常な機能を維持する活性を有することが明らかとなった。

# [0080]

虚血性慢性心不全(心筋梗塞後慢性心不全)のみならず慢性心不全においても、心機能の低下、心肥大に起因する、心筋細胞に対する血流不足(虚血)が報告されていることから、当該蛋白質を慢性心不全状態の心筋細胞に補充することにより、心筋細胞を保護し、さらに拍出機能を維持させることにより、慢性心不全治療薬となる。

# 実施例8:anti-AOP-1発現アデノウイルス改変ベクターの構築

実施例 5 で用いたCMV promoterの下流にAOP-1遺伝子、その下流に牛Growth ho rmone由来のpoly Aシグナルを持ったAOP-1発現ユニットから、AOP-1遺伝子を切り出し、切り出した両方のフラグメントをDNA Blunting Kit(宝酒造株式会社製)を用いて末端を平滑化し、再びligationした。AOP-1のクローニングされた方向を配列解読によって確認した。この発現ユニットをBglII, DraIIIを用いて切り出し、DNA Blunting Kit(宝酒造株式会社製)を用いて末端を平滑化し、Aden ovirus Expression Vector Kit付属のコスミドpAxcwのSwaI siteにクローニングした。これを用い、実施例 5 と同様にウイルスベクター(adenovirus vector an ti-AOP-1 cosmid)を作製した。

#### 実施例9:培養心筋細胞に対するAnti-AOP-1遺伝子強制発現の影響

実施例 6 と同様の方法にて、anti-AOP-1、AOP-1、 $\beta$ -galactosidase強制発現 細胞を作製した。未導入細胞と共に、上記遺伝子導入細胞を 7 2 時間培養を行った後、ミトコンドリア呼吸鎖に属するsuccinate-tetrazolium reductase系が、M TT試薬(ナカライテスク社製)を還元することを利用した、細胞生存率、細胞代謝活性測定試薬を用いて解析を行った。すると、anti-AOP-1導入細胞群でのみ有意に、MTT試薬分解物の生成が抑制されていた(図 7)。顕微鏡下で観察を行った結果、anti-AOP-1群では、有意に生存細胞数の減少が見られた。よって、Anti-AOP-1の強制発現は、培養心筋細胞の生存に不利に作用することが判明した。

#### 実施例10:その他病態モデルの作製

# A. 腎炎モデルの作製

8週齢のWistar系雌性ラットを用いた。エーテル麻酔下で左腎臓を摘出した。その1時間後にanti-Thy-1 monoclonal antibody(1-22-3), $500 \,\mu$  g/rat を静脈内投与することによって腎炎を惹起した。 腎炎惹起 4.2 日後、腎臓を摘出した

# B. septic shock(感染性肝炎)モデルの作製

150-300gの同週齢ラット3匹に対し、lipopolysaccharide 10mg/kgを腹腔内投与し、2時間後肝臓を摘出した。

# 実施例11:その他病態モデルでのAOP-1遺伝子の発現解析

総RNAは上記実施例 1 0 で得られた各臓器の組織より ISOGEN(ニッポンジーン社)を用いて説明書に記載の方法に従って調製し、DNase処理を行った。DNase処理した総RNAそれぞれ $1\mu$ gより反応液 $50\mu$ lでTaqMan(登録商標) Reverse Trans cription Reagents(PE Applied Biosystems社)を用いてcDNAを合成した。遺伝子の発現解析はABI PRISM 7700(PE Applied Biosystems社)を用いたリアルタイムPCR定量システムにより定量した。AOP-1遺伝子検出用のプライマーおよびTa qManプローブはプライマーデザインソフトウェアABI PRISM Primer Expressを用いてmouse AOP-1 cDNAの塩基配列を基に設計した。フォワード プライマー(配列番号:7)、リバース プライマー(配列番号:8)、TaqManプローブ(配列番号:9)。

#### [0081]

リアルタイムPCR定量反応は上記cDNA  $1\mu$ lを鋳型として反応液 $40\mu$ lでTaqMan(登録商標) Universal PCR Mater Mix(PE Applied Biosystems社)を用いて説明書に記載の方法に従って行った。解析結果は図8A、B及び図9に示した。その結果各疾患モデルの疾患臓器において病態の進行に伴いAOP-1遺伝子の発現低下が見られた。

#### 実施例12:胎仔ラット由来培養神経細胞の作製

Wistar妊娠18~20日目ラットをエーテル麻酔した後、開腹した。子宮より胎児

を取り出し、さらに胎仔から脳を取り出し氷冷HBSS(組織培養用 ハンクス液 「ニッスイ」②(日水製薬社) 9.8~g/l、NaHCO3 0.35~g/l を作製し濾過滅菌)中に保存した。直ちに実体顕微鏡下で大脳を分離し、蛋白質分解酵素papa in(wort hington社) にて細胞を分散させた。馬血清を終濃度10%で混合した日研生物医学研究所社製D-MEM(high-glucose)培地を用いて、分取した神経細胞を培養した。培養開始後、4~日目上記血清含培地を加え、さらに3~1日間培養を行った。合計7日間培養後、AOP-1もしくは<math>g~2alactosidaseアデノウイルスベクターによる遺伝子導入を行った。遺伝子導入後4~8時間培養し、Glutamate傷害、無血清化等の刺激を行った。

実施例13:AOP-1の培養神経細胞におけるグルタミン酸傷害保護作用の検出 実施例11にて作製した培養神経細胞に対し、実施例6と同様の方法にてAOPl遺伝子の導入を行った。実施例7と同様にβ-galactosidaseを強制発現させた 群を比較対照に位置づけ、以下の実験に用いた。終濃度0, 100, 500μM、でglut amateを加え48時間培養した後、MTT assayに供した。glutamateを加えなかっ た、それぞれの遺伝子導入群のMTT値で、glutamate傷害群を割り返したものを神 経細胞保護率としてグラフ化した(図10)。なお、図10中の、MK-801は、(+ )-dibenzocyclohepteneimineであり、NMDAレセプターのアンタゴニストであり、 神経培養細胞をグルタミン酸傷害から守ることが示されている(Eur J Pharmaco 1 1993 Dec 1;248(4):303-12) 。図で示したように、AOP-1導入群はMK-801非添 加群において、β-galactosidase導入群に比較して培養神経細胞保護傾向を示し た。さらに、MK-801添加群においては、 $\beta$ -galactosidase導入群に比較して有意 に培養神経細胞保護作用を示したので、AOP-1はMK-801の保護作用に対し相加作 用を持つことが示された。神経細胞におけるグルタミン酸傷害には、前述のNMDA レセプターを介するカルシウム過負荷と、cystine, glutamate-antiporterの活 性化を介する細胞内cystine枯渇傷害(Neuroscience 1992 Jun;48(4):906-914)の 二つが見出されている。上記の結果から、AOP-1は上記二つの傷害に対する保護 作用を併せ持つと考えられる。

実施例14:AOP-1の培養神経細胞神経突起伸展促進作用の検出

実施例 1 2 にてグルタミン酸未添加の細胞 (10% FBS群)、グルタミン酸添加 (10% FBS群 + 100 μ M glutamate群) 無血清化(0% FBS群)、を写真撮影した(図 1 1)。

#### [0082]

各種刺激存在下で常にAOP-1導入群で神経突起伸展促進、保護作用が観察された。

#### 【図面の簡単な説明】

# 【図1】

各慢性心不全病態モデルラットにおけるAOP-1蛋白質の心肥大期および心不全期での発現変化を示す。

## 【図2】

各慢性心不全病態モデルラットにおけるAOP-1遺伝子の心肥大期および心不全期での発現変化を示す。

#### 【図3】

心筋梗塞後慢性心不全モデルラットにおけるAOP-1、TSA、Cu-Zn SODおよびCat alase遺伝子の発現変化を示す。

#### 【図4】

AOP-1遺伝子強制発現が細胞生存率に及ぼす影響を示す。

#### 【図5】

AOP-1遺伝子強制発現が細胞自立拍動率に及ぼす影響を示す。

#### 【図6】

AOP-1遺伝子強制発現がMTT分解活性に及ぼす影響を示す。

#### 【図7】

Ant i-AOP-1遺伝子強制発現が培養心筋細胞に及ぼす影響を示す。

#### 【図8】

Aは、腎炎モデルにおけるAOP-1遺伝子の発現変化を病態の進行との関連で示したものであり、Bは、腎炎モデルにおけるTSA遺伝子の発現変化を病態の進行

との関連で示したものである。

### 【図9】

感染性肝炎モデルにおけるAOP-1遺伝子の発現変化を示す。

#### 【図10】

AOP-1遺伝子強制発現が培養神経細胞グルタミン酸傷害に及ぼす保護作用を示す。

#### 【図11】

AOP-1遺伝子強制発現が培養神経細胞に及ぼす神経突起伸展促進・保護作用を示す。

# 【配列表】

<110> サントリー株式会社

株式会社サントリー生物医学研究所

<120> AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の治療方法及び当該疾患治療薬

<130> 010361

<160> 20

<210> 1

<211> 1542

<212> mRNA

<213> Homo sapiens

<400> 1

ctgaagatgg cggctgctgt aggacggttg ctccgagcgt cggttgcccg acatgtgagt 60 gccattcctt ggggcatttc tgccactgca gccctcaggc ctgctgcatg tggaagaacg 120 agcttgacaa atttattgtg ttctggttcc agtcaagcaa aattattcag caccagttcc 180 tcatgccatg cacctgctgt cacccagcat gcaccctatt ttaagggtac agccgttgtc 240 aatggagagt tcaaagacct aagccttgat gactttaagg ggaaatattt ggtgcttttc 300

```
360
ttctatcctt tggatttcac ctttgtgtgt cctacagaaa ttgttgcttt tagtgacaaa
                                                                   420
gctaacgaat ttcacgatgt gaactgtgaa gttgtcgcag tctcagtgga ttcccacttt
                                                                   480
agccatcttg cctggataaa tacaccaaga aagaatggtg gtttgggcca catgaacatc
                                                                   540
gcactcttgt cagacttaac taagcagatt tcccgagact acggtgtgct gttagaaggt
                                                                   600
tetggtettg cactaagagg tetetteata attgacceca atggagteat caagcatttg
agegteaacg ateteccagt gggeegaage gtggaagaaa ceeteegett ggtgaaggeg
                                                                   660
                                                                   720
ttccagtatg tagaaacaca tggagaagtc tgcccagcga actggacacc ggattctcct
                                                                   780
acgatcaagc caagtccagc tgcttccaaa gagtactttc agaaggtaaa tcagtagatc
                                                                   840
acceatgtgt atetgeacet teteaactga gagaagaace acagttgaaa eetgetttta
                                                                   900
tcattttcaa gatggttatt tgtagaaggc aaggaaccaa ttatgcttgt attcataagt
                                                                   960
attactctaa atgttttgtt tttgtaattc tggctaggac cttttaaaca tggttagttg
ctagtacagg aatcgtttat tggtaacatc ttggtggctg gctagctagt ttctacagaa 1020
cataatttgc ctctatagaa ggctattctt agatcatgtc tcaatggaaa cactcttctt 1080
tettageett aettgaatet tgeetataat aaagtagage aacacacatt gaaagettet 1140
gatcaacggt cctgaaattt tcatcttgaa tgtctttgta ttaaactgaa ttttctttta 1200
agctaacaaa gatcataatt ttcaatgatt agccgtgtaa ctcctgcaat gaatgtttat 1260
gtgattgaag caaatgtgaa tcgtattatt ttaaaaagtg gcagagtgac ttaactgatc 1320
atgeatgate ecteateect gaaattgagt ttatgtagte attttaetta ttttatteat 1380
tagctaactt tgtctatgta tatttctaga tattgattag tgtaatcgat tataaaggat 1440
atttatcaaa tccagggatt gcattttgaa attataatta ttttctttgc tgaagtattc 1500
attgtaaaac atacaaataa catatttaaa caaaaaaaaa aa
                                                                  1542
```

<211> 1433

<212> mRNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 2

gctatcgtgg ctcttgcgtt ctctgaagat ggcggcagct gcgggaaggt tgctctggtc 60 ctcggtggct cggcctgcga gcactatttt ccggagtatt tctgcctcaa cagttcttag 120

```
gcctgttgct tctagaagaa cctgcttgac agacatgctg tggtctgcct gtccccaagc
                                                                180 a
                                                                240
aagtttgcc tttagcacca gttcttcatt ccacacccct gctgtcaccc agcatgcgcc
                                                                 300
ccattttaaa ggtactgctg ttgtcaatgg agagttcaaa gagctgagtc tcgacgactt
                                                                 360
taaggggaaa tacttggtgc ttttcttcta ccctttggat ttcacatttg tgtgtcctac
                                                                 420
agaaattgtt gctttcagtg acaaagccaa tgagtttcat gacgtaaact gtgaagtagt
                                                                 480
tgcggtttct gtggattccc acttcagtca tcttgcctgg atcaacacgc caagaaagaa
                                                                 540
tggtggtttg ggccacatga acatcacgct gttgtcggac ttaactaagc agatatcccg
                                                                 600
agactacgga gtactgttgg aaagtgctgg cattgcgctc agaggtctct tcattattga
                                                                 660
ccctaatggt gtcatcaagc acctgagtgt caatgacctt ccggtgggcc gaagtgtgga
                                                                 720
agaaccactc cgtttggtaa aggcgttcca gtttgtggag acccatggag aagtctgccc
                                                                 780
acceaactgg acaccagagt cccctacgat caagccaagt ccaacagctt caaaagagta
                                                                 840
ctttgagaag gtccatcaat aataggtcat cctatgtctg ctggtttacc tgaagcttct
                                                                 900
catgccaaaa gagagcccca gctggaatcc tgaagattat ttatagaatg gcaaaaacct
caccatgctt gtgtttataa gtactgctcc atgggctttg taattttaag acaggttcag
                                                                 960
gttaaaggtg gccagctcct tccatagctg tccttactag ggacttcttg atggctacca 1020
attetetaca agtgettggt ecceatttet tagateatgt etteagaggg ttaagattte 1080
ttagcctgcc ctgaagcttg gtctacagtg aagtagcaca tagcaccagt acttagtgaa 1140
atgaagtage acatagegee ageaettagt gaaatgaagt ageatatagt geeageaett 1200
agtgaaagct tetgateaag gteetgaaat tteetettgg atttttgtta attatgetga 1260
atttcccatt attttttagt gtagtcatta actcacagtg tccttgtgtg ttctaaggta 1320
ttgatgagtt ataatcatga aggactatgt ttctaaaaca ctatgtcatt ttctttctt 1380
                                                                1433
```

<211> 1382

<212> mRNA

<213> mouse

<400> 3

ctactcctcg gtatctccgc ctatcgtgcc tcttgcgtgc tctgaagatg gcggcagctg 60

```
120
cgggaaggtt gctctggtcc tcggttgctc gtcatgcaag tgctatttcc cggagtattt
                                                                   180
ctgcctcaac agttcttagg cctgttgctt ctagaagaac ctgtttgaca gacatactgt
                                                                   240
ggtctgcctc tgcccaagga aagtcagcct ttagcaccag ttcctctttc cacacccctg
                                                                   300
ctgtcaccca gcacgcgccc tattttaaag gtactgctgt tgtcaatgga gagttcaaag
agctgagtct cgacgacttt aagggaaaat acttggtgct tttcttctac cctttggatt
                                                                   360
                                                                   420
tcacatttgt gtgtcctaca gaaattgttg ctttcagtga caaagccaat gaatttcatg
                                                                   480
atgtaaactg tgaagtagtt gcagtttcag tggattccca cttcagtcat cttgcctgga
                                                                   540
tcaacacacc aagaaagaat ggtggtttgg gccacatgaa catcacactg ttgtcggata
                                                                   600
taactaagca gatatcccga gactacggag tgctgttgga aagtgctggc attgcactca
gaggtctctt cattattgac cctaatggtg tcgtcaagca cctgagtgtc aacgaccttc
                                                                   660
                                                                   720
cggtgggccg cagtgtggaa gaaacactcc gtttggtaaa ggcgttccag tttgtagaga
                                                                   780
cccatggaga agtctgccca gccaactgga caccagagtc ccctacgatc aagccaagtc
caacagcttc caaagagtac tttgagaagg tccatcagta ggccatccta tgtctgcaat
                                                                   840
tacctgaagc ttttcaggcc aaaaaagagc cccagctgga atccttccaa tgccttgaag
                                                                   900
attatttata gaatggcaaa acctcattat gtttgtgttt ataagtactg ctccacaggc
                                                                   960
tttgtaatte taagacaggt teaggetete taaaggtgge tagetgette catagetgee 1020
cttactaggg acttettggt ggctaaccaa ttetececga gtgetttgee eccatttett 1080
ggatcatgtc cttagagggt aagcattett teeettagee tgeeetgaac ettggtetae 1140
agtgaagtag cacatagtgc cagtacttgg tgaaatgaag tagcacatag caccagcact 1200
taatggaage ttetgateaa ggteetaaaa ttteetettg aatttttgtg aattatgetg 1260
aattteeett ttttttttt taaacagtgt eettgtgtgt tetgaggtat tgaagaggta 1320
taatcatgaa ggactatgtc taatccataa gtcattttct tcaagagctg gatatataga 1380
at
                                                                  1382
```

<211> 256

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 4

Met	Ala	Ala	Ala	Val	Gly	Arg	Leu	Leu	Arg	Ala	Ser	Val	Ala	Arg	His
				5					10					15	
Val	Ser	Ala	Ile	Pro	Trp	Gly	Ile	Ser	Ala	Thr	Ala	Ala	Leu	Arg	Pro
			20					25					30		
Ala	Ala	Cys	Gly	Arg	Thr	Ser	Leu	Thr	Asn	Leu	Leu	Cys	Ser	Gly	Ser
		35					40					45			
Ser	Gln	Ala	Lys	Leu	Phe	Ser	Thr	Ser	Ser	Ser	Cys	His	Ala	Pro	Ala
	50					55					60				
Val	Thr	Gln	His	Ala	Pro	Tyr	Phe	Lys	Gly	Thr	Ala	Val	Val	Asn	Gly
65					70					75					80
Glu	Phe	Lys	Asp	Leu	Ser	Leu	Asp	Asp	Phe	Lys	Gly	Lys	Tyr	Leu	Val
				85					90					95	
Leu	Phe	Phe	Tyr	Pro	Leu	Asp	Phe	Thr	Phe	Val	Cys	Pro	Thr	Glu	Ile
			100					105					110		
Val	Ala	Phe	Ser	Asp	Lys	Ala	Asn	Glu	Phe	His	Asp	Val	Asn	Cys	Glu
		115					120					125			
Val	Val	Ala	Val	Ser	Val	Asp	Ser	His	Phe	Ser	His	Leu	Ala	Trp	Ile
	130					135					140		·		
Asn	Thr	Pro	Arg	Lys	Asn	Gly	Gly	Leu	Gly	His	Met	Asn	Ile	Ala	Leu
145					150					155					160
Leu	Ser	Asp	Leu	Thr	Lys	Gln	Ile	Ser	Arg	Asp	Tyr	Gly	Val	Leu	Leu
				165					170					175	
Glu	Gly	Ser	Gly	Leu	Ala	Leu	Arg	Gly	Leu	Phe	Ile	Ile	Asp	Pro	Asn
			180					185					190		
Gly	Val	Ile	Lys	His	Leu	Ser	Val	Asn	Asp	Leu	Pro	Val	Gly	Arg	Ser
		195					200					205			
Val	Glu	Glu	Thr	Leu	Arg	Leu	Val	Lys	Ala	Phe	Gln	Tyr	Val	Glu	Thr
	210					215					220				
His	Gly	Glii	Val	Cvs	Pro	Ala	Asn	Trn	Thr	Pro	Asn	Ser	Pro	Thr	T۱۵

Lys Pro Ser Pro Ala Ala Ser Lys Glu Tyr Phe Gln Lys Val Asn Gln <210> 5 <211> 257 <212> PRT <213> Rattus norvegicus <400> 5 Met Ala Ala Ala Gly Arg Leu Leu Trp Ser Ser Val Ala Arg Pro Ala Ser Thr Ile Phe Arg Ser Ile Ser Ala Ser Thr Val Leu Arg Pro Val Ala Ser Arg Arg Thr Cys Leu Thr Asp Met Leu Trp Ser Ala Cys Pro Gln Ala Lys Phe Ala Phe Ser Thr Ser Ser Ser Phe His Thr Pro Ala Val Thr Gln His Ala Pro His Phe Lys Gly Thr Ala Val Val Asn Gly Glu Phe Lys Glu Leu Ser Leu Asp Asp Phe Lys Gly Lys Tyr Leu Val Leu Phe Phe Tyr Pro Leu Asp Phe Thr Phe Val Cys Pro Thr Glu Ile Val Ala Phe Ser Asp Lys Ala Asn Glu Phe His Asp Val Asn Cys Glu Val Val Ala Val Ser Val Asp Ser His Phe Ser His Leu Ala Trp 

Ile Asn Thr Pro Arg Lys Asn Gly Gly Leu Gly His Met Asn Ile Thr

Leu	Leu	Ser	Asp	Leu	Thr	Lys	Gln	Ile	Ser	Arg	Asp	Tyr	Gly	Val	Leu
				165					170					175	
Leu	Glu	Ser	Ala	Gly	Ile	Ala	Leu	Arg	Gly	Leu	Phe	Ile	Ile	Asp	Pro
			180					185					190		
Asn	Gly	Val	Ile	Lys	His	Leu	Ser	Val	Asn	Asp	Leu	Pro	Val	Gly	Arg
		195					200					205			
Ser	Val	Glu	Glu	Pro	Leu	Arg	Leu	Val	Lys	Ala	Phe	Gln	Phe	Val	Glu
	210					215					220				
Thr	His	Gly	Glu	Val	Cys	Pro	Pro	Asn	Trp	Thr	Pro	Glu	Ser	Pro	Thr
225					230					235					240
Ile	Lys	Pro	Ser	Pro	Thr	Ala	Ser	Lys	Glu	Tyr	Phe	Glu	Lys	Val	His
				245					250					255	
Gln															
<210	0> 6														
<21	1> 25	57										•			
<212	2> PI	RT													
<213	3> ma	ouse													
<400	0> 6														
Met	Ala	Ala	Ala	Ala	Gly	Arg	Leu	Leu	Trp	Ser	Ser	Val	Ala	Arg	His
				5					10					15	
Ala	Ser	Ala	Ile	Ser	Arg	Ser	Ile	Ser	Ala	Ser	Thr	Val	Leu	Arg	Pro
			20					25					30		
Val	Ala	Ser	Arg	Arg	Thr	Cys	Leu	Thr	Asp	Ile	Leu	Trp	Ser	Ala	Ser
	•	35					40					45			
Ala	Gln	Gly	Lys	Ser	Ala	Phe	Ser	Thr	Ser	Ser	Ser	Phe	His	Thr	Pro
	50					55					60				
Ala	Val	Thr	Gln	His	Ala	Pro	Tyr	Phe	Lys	Gly	Thr	Ala	Val	Val	Asn
65					70					75					80

Gly	Glu	Phe	Lys	Glu	Leu	Ser	Leu	Asp	Asp	Phe	Lys	Gly	Lys	Tyr	Leu
				85					90					95	
Val	Leu	Phe	Phe	Tyr	Pro	Leu	Asp	Phe	Thr	Phe	Val	Cys	Pro	Thr	Glu
			100					105					110		
Ile	Val	Ala	Phe	Ser	Asp	Lys	Ala	Asn	Glu	Phe	His	Asp	Val	Asn	Cys
		115					120					125			
Glu	Val	Val	Ala	Val	Ser	Val	Asp	Ser	His	Phe	Ser	His	Leu	Ala	Trp
	130					135					140				٠
Ile	Asn	Thr	Pro	Arg	Lys	Asn	Gly	Gly	Leu	Gly	His	Met	Asn	Ile	Thr
145					150					155					160
Leu	Leu	Ser	Asp	Ile	Thr	Lys	Gln	Ile	Ser	Arg	Asp	Tyr	Gly	Val	Leu
				165					170					175	
Leu	Glu	Ser	Ala	Gly	Ile	Ala	Leu	Arg	Gly	Leu	Phe	Ile	Ile	Asp	Pro
			180					185					190		
Asn	Gly	Val	Val	Lys	His	Leu	Ser	Val	Asn	Asp	Leu	Pro	Val	Gly	Arg
		195					200					205			
Ser	Val	Glu	Glu	Thr	Leu	Arg	Leu	Val	Lys	Ala	Phe	Gln	Phe	Val	Glu
	210					215					220				
Thr	His	Gly	Glu	Val	Cys	Pro	Ala	Asn	Trp	Thr	Pro	Glu	Ser	Pro	Thr
225					230					235					240
Ile	Lys	Pro	Ser	Pro	Thr	Ala	Ser	Lys	Glu	Tyr	Phe	Glu	Lys	Val	His
				245					250					255	
Gln															

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<400> 7

# tgcagtttca gtggattccc a

- <210> 8
- <211> 18
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 8

ttcatgtggc ccaaacca

- <210> 9
- <211> 28
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 9

tcttgcctgg atcaacacac caagaaag

- <210> 10
- <211> 22
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 10

ccctctgctt gctgatgtga ct

- <210> 11
- <211> 20
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 11

cctgtaagcg atgccctcat

- <210> 12
- <211> 29
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 12
- agcttgtccc agaattacgg cgtgttgaa
- <210> 13
- <211> 19
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 13
- gcggatgaag agaggcatg
- <210> 14
- <211> 18
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 14
- gccacaccgt cctttcca
- <210> 15
- <211> 23
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 15
- tggagacctg ggcaatgtgg ctg

- <210> 16
- <211> 17
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 16
- acgggtgctc agcctcc
- <210> 17
- <211> 18
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 17
- aggettgtge cetgette
- <210> 18
- <211> 25
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 18
- cagcctgcac tgaggagatc cctca
- <210> 19
- <211> 28
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <400> 19
- aaccgcggtc gtggctcttg cgttctct
- <210> 20

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

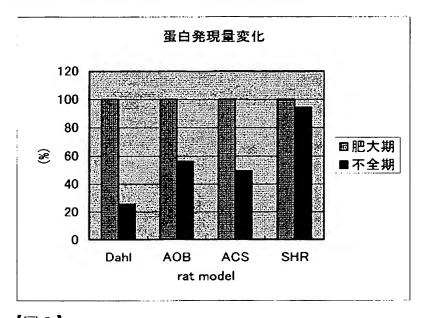
<400> 20

gcgctagctt attgatggac cttctcaaag

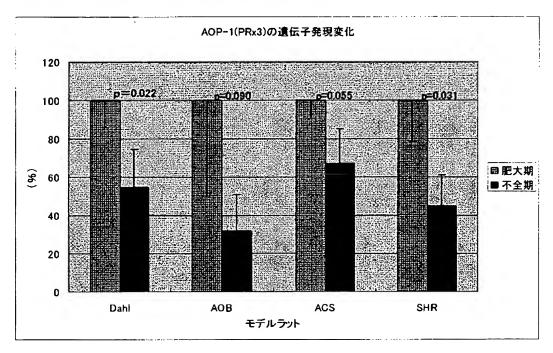
# 【書類名】 図面

【図1】

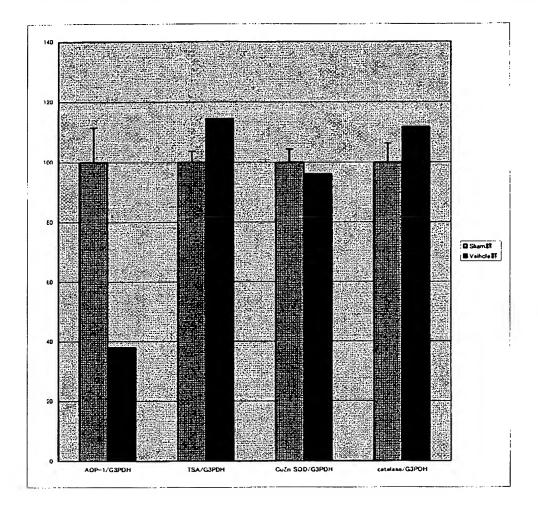
#### 図1AOP-1蛋白質の各モデルにおける発現変化



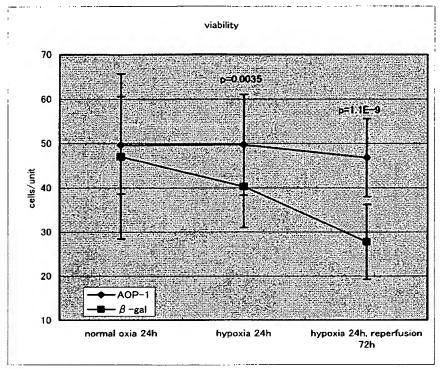
【図 2 】図2 AOP-1の各モデルラットにおける遺伝子発現変化



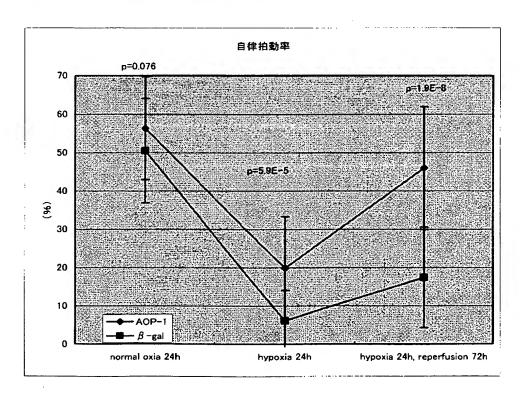
【図 3 】 図3 心筋梗塞後慢性心不全モデルにおけるAOP-1, TSA, catalase, Cu-Zn SOD遺伝子発現変化解析



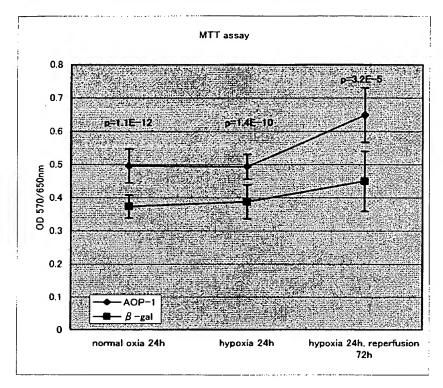
【図4】 図4 AOP-1強発現の細胞生存率に対する作用



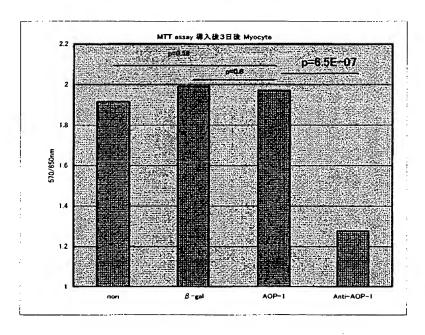
【図 5 】 図5 AOP-1強発現の細胞自律拍動率に対する作用



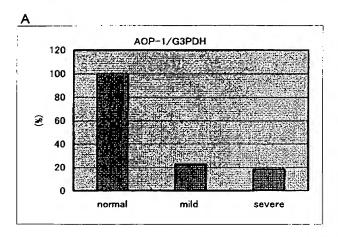
【図 6 】 図6 AOP-1強発現のMTT分解活性に対する作用

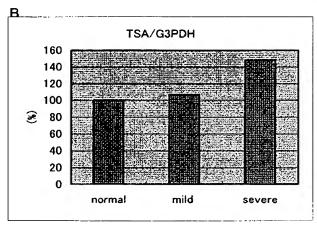


【図 7 】 図7 anti-AOP-1発現ベクターの培養心筋細胞に対する作用



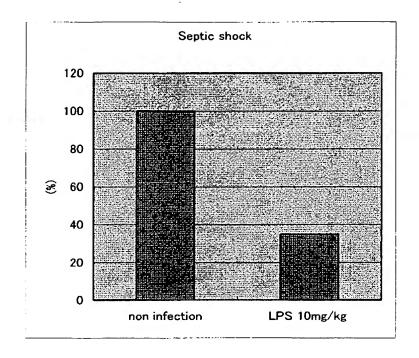
【図 8 】 図8 腎炎モデルにおけるAOP-1とTSAの遺伝子発現変化



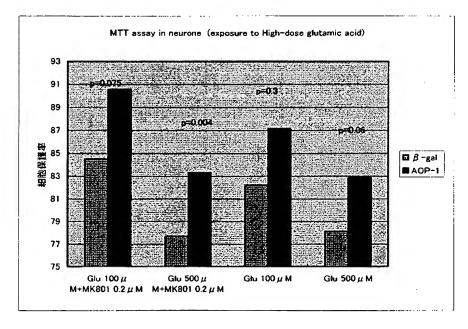


【図9】

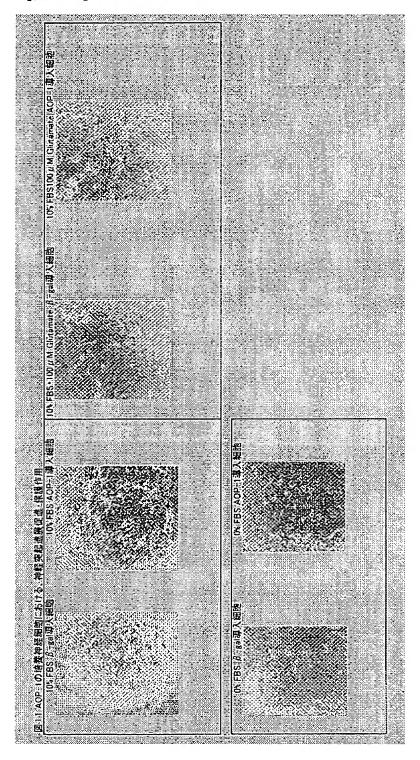
図9



【図 1 0】 図10、AOP-1強発現による、培養神経細胞グルタミン酸傷害保護作用の検出



【図11】



# 【書類名】 要約書

### 【要約】

【課題】AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患(例えば、慢性心不全、慢性関節リウマチ、神経変性疾患、腎不全等)の予防方法、治療方法又は診断方法、当該疾患の予防薬又は治療薬、当該製剤の有効成分に係る物質のスクリーニング方法、AOP-1遺伝子を発現抑制又は欠失する非ヒト形質転換動物、及び形質転換組織等を提供する。

【解決手段】 AOP-1遺伝子又はAOP-1の発現減少を伴う疾患の予防又は治療方法において、(1) AOP-1をコードする核酸、若しくはAOP-1のアミノ酸配列中のアミノ酸が1つ以上付加、欠失、置換されたAOP-1の機能を有するポリペプチドをコードする核酸を導入すること、又は(2) AOP-1遺伝子の発現を増強する物質、AOP-1の産生を増強する物質若しくはAOP-1の機能を増強する物質を投与すること、からなる当該予防又は治療方法。

ページ: 1/E

# 職権訂正履歴 (職権訂正)

特許出願の番号

特願2001-041003

受付番号

5 0 1 0 0 2 2 1 2 7 2

書類名

特許願

担当官

佐々木 吉正

2 4 2 4

作成日

平成13年 2月22日

<訂正内容1>

訂正ドキュメント

図面

訂正原因

職権による訂正

訂正メモ

図面中【図12】は存在しないので、【図12】を削除しました。

訂正前内容

【図12】

訂正後内容

削除

# 特願2001-041003

# 出願人履歴情報

識別番号

[000001904]

1. 変更年月日

1990年 8月13日

[変更理由]

新規登録

住 所

大阪府大阪市北区堂島浜2丁目1番40号

氏 名 サントリー株式会社

# 特願2001-041003

# 出願人履歴情報

# 識別番号

[500422182]

1. 変更年月日 [変更理由]

2000年 9月 8日

住 所

新規登録

氏 名

大阪府三島郡島本町若山台1丁目1番1号

株式会社サントリー生物医学研究所

2. 変更年月日 [変更理由]

2003年 3月17日

名称変更

住 所

大阪府三島郡島本町若山台1丁目1番1号株式会社第一サントリー生物医学研究所

氏 名